

Millora genètica animal

2012/2013

Codi: 100957

Crèdits ECTS: 6

| Titulació | Pla | Tipus | Curs | Semestre |
|----------------------------------|------------------------------|-------|------|----------|
| 2500253 Graduat en Biotecnologia | 815 Graduat en Biotecnologia | OT | 0 | 0 |

Professor de contacte

Nom: Josep Maria Folch Albareda

Correu electrònic: JosepMaria.Folch@uab.cat

Utilització d'idiomes

Llengua vehicular majoritària: català (cat)

Algun grup íntegre en anglès: No

Algun grup íntegre en català: Sí

Algun grup íntegre en espanyol: No

Prerequisits

No hi ha prerequisits oficials, si bé és convenient que l'alumne:

- Conegui els conceptes fonamentals de Genètica Mendeliana, Genètica Molecular i Bioestadística.
- Pugui llegir textos científics en anglès.
- Pugui utilitzar les eines informàtiques bàsiques.

Objectius

La Millora Genètica Animal és una assignatura optativa de 6 ECTS que s'imparteix durant el primer semestre, dins el quart curs del Grau en Biotecnologia. L'estudiant adquirirà els coneixements teòrics i pràctics que li permetin en el seu futur professional participar en la gestió genètica, utilitzant eines moleculars i genòmiques, de poblacions d'animals domèstics, tant en els programes de conservació, de control genètic de malalties, de selecció i millora genètica i de producció biotecnològica.

Els objectius formatius concrets són:

- Conèixer com mesurar i quantificar la variabilitat genètica de les poblacions.
- Comprendre l'herència dels caràcters quantitius i multifactorials.
- Conèixer els mètodes d'anàlisi del genoma en animals domèstics.
- Adquirir coneixements de com detectar i analitzar gens que afecten a caràcters complexes i de com aplicar-los en la millora genètica animal.
- Entendre i conèixer les eines bioinformàtiques d'anàlisi del genoma en animals.
- Introduir els coneixements per aplicar metodologies reproductives en la millora genètica animal.
- Conèixer les estratègies de producció biotecnològica en espècies domèstiques.

Competències

- Adquirir nous coneixements i tècniques de forma autònoma.

- Aplicar els recursos informàtics per a la comunicació, la recerca d'informació, el tractament de dades i el càlcul.
- Aplicar les principals tècniques associades a l'ús de sistemes biològics: DNA recombinant i clonació, cultius cel·lulars, manipulació de virus, bacteris i cèl·lules animals i vegetals, tècniques immunològiques, tècniques de microscòpia, proteïnes recombinants i mètodes de separació i caracterització de biomolècules.
- Buscar i gestionar informació procedent de diverses fonts.
- Buscar, obtenir i interpretar la informació de les principals bases de dades biològiques, bibliogràfiques i de patents i usar les eines bioinformàtiques bàsiques.
- Descriure les bases moleculars, cel·lulars i fisiològiques de l'organització, el funcionament i integració dels organismes vius en el marc de la seva aplicació als processos biotecnològics.
- Dissenyar experiments de continuació per resoldre un problema.
- Identificar les estratègies de producció i millora de productes de diferents sectors de producció amb mètodes biotecnològics i demostrar que es té una visió integrada del procés d'R+D+I.
- Interpretar resultats experimentals i identificar elements consistents i inconsistents.
- Llegir textos especialitzats tant a llengua anglesa com a les llengües pròpies.
- Obtenir informació de bases de dades i utilitzar el programari necessari per a establir correlacions entre estructura, funció i evolució de macromolècules.
- Pensar d'una forma integrada i abordar els problemes des de diferents perspectives.
- Prendre decisions.
- Raonar de forma crítica.
- Treballar de forma individual i en equip.

Resultats d'aprenentatge

1. Adquirir nous coneixements i tècniques de forma autònoma.
2. Aplicar els recursos informàtics per a la comunicació, la recerca d'informació, el tractament de dades i el càlcul.
3. Aplicar programes per a l'anàlisi comparativa de genomes animals.
4. Buscar i gestionar informació procedent de diverses fonts.
5. Dissenyar experiments de continuació per resoldre un problema.
6. Explicar les bases biològiques en què se sostenen els processos de millora genètica animal.
7. Explicar les tècniques de manipulació embrionària aplicades a la millora animal.
8. Interpretar resultats experimentals i identificar elements consistents i inconsistents.
9. Llegir textos especialitzats tant a llengua anglesa com a les llengües pròpies.
10. Pensar d'una forma integrada i abordar els problemes des de diferents perspectives.
11. Prendre decisions.
12. Raonar de forma crítica.
13. Treballar de forma individual i en equip.
14. Utilitzar i interpretar la informació de les bases de dades útils en l'àmbit de la millora genètica animal.
15. Utilitzar les tècniques d'anàlisi de la variabilitat genètica en espècies domèstiques.
16. Utilitzar processos biotecnològics d'aplicació a les proteïnes làcties.

Continguts

El contingut global de l'assignatura, distribuït per blocs, és el següent:

Bloc 1. Estudi de les poblacions animals i dels caràcters quantitius i complexes.

Bloc 2. Característiques de la millora genètica animal.

Bloc 3. Anàlisi de la variabilitat genètica en animals.

Bloc 4. Anàlisi del genoma animal.

Bloc 5. Detecció de patologies hereditàries en espècies domèstiques.

Bloc 6. Biotecnologia aplicada als animals domèstics.

Així mateix, l'estudiant es familiaritzarà amb la utilització de tècniques de genètica molecular per la identificació animal i proves de paternitat, el diagnòstic molecular de patologies hereditàries i l'aplicació d'eines bioinformàtiques en la millora genètica animal. Es plantejaran problemes o casos que l'estudiant haurà de resoldre mitjançant un treball al laboratori i un anàlisi de les dades obtingudes. Aquesta part de l'assignatura s'estructura en 4 sessions pràctiques de 3 hores i constarà de pràctiques al laboratori i anàlisi de les dades obtingudes al aula d'informàtica.

Cal consultar la programació general del curs a la pàgina web de la Facultat de Biociències (<http://www.uab.cat/biociencies/>)

Cal consultar l'espai docent de l'assignatura al Campus Virtual de la UAB (<https://cv2008.uab.cat/home/>)

Metodologia

La metodologia docent que s'utilitzarà durant tot el procés d'aprenentatge es basa fonamentalment en el treball de l'estudiant. El professor serà l'encarregat d'ajudar-lo tant en la adquisició i interpretació de la informació com en la direcció del seu treball. D'acord amb els objectius de l'assignatura, les activitats formatives que es duren a terme són:

-Classes magistrals. Amb aquestes classes l'estudiant adquireix els coneixements fonamentals de l'assignatura, que ha de complementar amb l'estudi dels conceptes explicats. Aquestes classes inclouran exemples pràctics que es resoldran a classe i es fomentarà la interacció i participació de l'alumne.

-Pràctiques de laboratori i aula d'informàtica. En aquestes classes l'estudiant aplica els coneixements adquirits en la resolució de casos pràctics reals. L'estudiant aprèn les tècniques de laboratori i les eines bioinformàtiques necessàries per l'anàlisi de les dades.

-Autoaprenentatge. Es facilitarà al estudiant un qüestionari/treball que ha de resoldre de forma autònoma i un manual que el guiarà durant el procés d'aprenentatge. Aquesta activitat pretén fomentar la capacitat d'emprar recursos informàtics i bibliogràfics per resoldre qüestions relacionades amb l'aplicació pràctica dels coneixements adquirits.

Activitats formatives

| Títol | Hores | ECTS | Resultats d'aprenentatge |
|----------------------------|-------|------|--------------------------------|
| Tipus: Dirigides | | | |
| Classes magistrals | 40 | 1,6 | 3, 5, 6, 7, 10, 11, 12, 14, 16 |
| Pràctiques laboratori | 12 | 0,48 | 1, 3, 4, 8, 13, 14, 15 |
| Tipus: Supervisades | | | |
| Autoaprenentatge | 8 | 0,32 | 1, 2, 4, 9, 13, 14 |
| Tipus: Autònomes | | | |
| Estudi autònom | 86 | 3,44 | 3, 6, 14, 15, 16 |

Avaluació

L'avaluació serà individual i es realitzarà de forma continuada en el context de les diferents activitats formatives que s'han programat. Es realitzaran dos exàmens parcials de la part teòrica de l'assignatura amb respostes de doble opció (vertader/fals). El primer examen parcial servirà per alliberar matèria. La matèria

corresponen al examen parcial es podrà recuperar al segon examen parcial. La nota mínima per aprovar els exàmens serà de 5 punts sobre un màxim de 10 punts. Així mateix, es realitzarà un examen de les pràctiques de laboratori l'últim dia de les sessions de pràctiques programades. Aquests examen constarà de preguntes amb resposta de doble opció (vertader/fals). Relacionat amb les pràctiques, l'estudiant ha de resoldre de forma autònoma i entregar un qüestionari/treball. També es valorarà l'actitud de l'estudiant davant de l'assignatura.

Les dates dels exàmens es podran consultar al CV de l'assignatura o a la pàgina web de la Facultat.

Les qualificacions obtingudes als exàmens constituïran la següent proporció de la nota final:

-Primer parcial: 40%

-Segon parcial: 40 %

-Examen pràctiques i Avaluació qüestionari/treball: 20 %

La nota mínima per aprovar l'assignatura serà de 5 punts sobre un màxim de 10 punts.

Es considerarà com a presentats els alumnes que s'hagin presentat al segon examen parcial. Qualsevol altre cas serà considerat com a No Presentat.

Activitats d'avaluació

| Títol | Pes | Hores | ECTS | Resultats d'aprenentatge |
|---|-----|-------|------|-----------------------------|
| Examen de pràctiques de laboratori | 12% | 0 | 0 | 3, 15 |
| Presentació de un qüestionari/treball de les pràctiques | 8% | 0 | 0 | 1, 2, 4, 9, 13, 14 |
| Primer parcial | 40% | 2 | 0,08 | 5, 6, 10, 11, 12, 14, 15 |
| Segon parcial | 40% | 2 | 0,08 | 3, 5, 7, 10, 11, 12, 14, 16 |

Bibliografia

Llibres de text

-Brown, T. A. (2002). Genomes. 2nd ed. Oxford, UK: BIOS Scientific Publishers, Ltd; 2

-Galas DJ i Mc Cormack SJ. (Ed.) (2002). Genomic technologies. Present and Future. Caister Academic Press, Norfolk, UK

-Lewin B. (2004). Genes VIII. Prentice Hall.

-Mount DW. (2001) Bioinformatics. Cold Spring Harbor Laboratory Press

-Strachan, Tom and Read, Andrew P. (1999). Human Molecular Genetics 2. 2nd ed. Oxford, UK: BIOS Scientific Publishers Ltd

Articles

-Abasht B, Dekkers JC, Lamont SJ. (2006). Review of quantitative trait loci identified in the chicken. Poultry Sci. Dec;85(12):2079-96.

-Andersson L. (2001). Genetic dissection of phenotypic diversity in farm animals. Nat Rev Genet., 2: 130-138.

-Andersson L, Georges M. Domestic-animal genomics: deciphering the genetics of complex traits. Nat Rev Genet. 2004 Mar;5(3):202-12.

- Bidanel J.P. y Rothschild M. (2002). Current status of quantitative trait locus mapping in pigs. *Pig News and Information*, 23: 39N-54N.
- Dekkers JC y Hospital F. (2002). The use of molecular genetics in the improvement of agricultural populations. *Nat Rev Genet.*, 3: 22-32.
- Fadiel A, Anidi I, Eichenbaum KD. (2005). Farm animal genomics and informatics: an update. *Nucleic Acids Res.* Nov 7;33(19):6308-18.
- Georges M. (2007). Mapping, fine mapping, and molecular dissection of quantitative trait Loci in domestic animals. *Annu Rev Genomics Hum Genet.*; 8:131-62.
- Goddard M.E. y Hayes B.J. (2009). Mapping genes for complex traits in domestic animals and their use in breeding programmes. *Nature Reviews Genetics*, 10:381-391.
- Haley C. y Vischer P. (1999) DNA markers and genetic testing in farm animal improvement: Current applications and future prospects. Roslin Institute, Edinburgh, Annual Report 98-99, 28-39. <http://www.roslin.ac.uk/publications/9899annrep/abst-markers.html>
- Rockman MV, Kruglyak L. Genetics of global gene expression. *Nat Rev Genet.* 2006 Nov;7(11):862-72.
- Rothschild MF, Hu ZL, Jiang Z. (2007). Advances in QTL mapping in pigs. *Int J Biol Sci.* Feb 10;3(3):192-7.
- International Chicken Genome Sequencing Consortium. 2004. Sequence and comparative analysis of the chicken genome provide unique perspectives on vertebrate evolution. *Nature* 432:695-716
- Lindblad-Toh et al., (2005). Genome sequence, comparative analysis and haplotype structure of the domestic dog. *Nature.* 2005 Dec 8;438(7069):803-19.

Webs

- Books-NCBI: <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books>
- U.S Pig Genome Mapping Site: www.animalgenome.org/pigs/
- OMIA - Online Mendelian Inheritance in Animals: <http://omia.angis.org.au/home/>
- The Bovine Genome Database: <http://genomes.arc.georgetown.edu/drupal/bovine/>