

**Química i enginyeria de proteïnes**

Codi: 100935

Crèdits: 6

Titulació	Tipus	Curs	Semestre
2500253 Biotecnologia	OB	3	1

**Professor/a de contacte**

Nom: Josep Vendrell Roca

Correu electrònic: Josep.Vendrell@uab.cat

**Utilització d'idiomes a l'assignatura**

Llengua vehicular majoritària: català (cat)

Grup íntegre en anglès: No

Grup íntegre en català: Sí

Grup íntegre en espanyol: No

**Altres indicacions sobre les llengües**

Partint d'un acord entre estudiants i professor, part de la docència de teoria es podrà fer en anglès.

**Prerequisits**

No hi ha prerequisits oficials, però se suposa que l'alumnat ha adquirit coneixements suficientment sòlids de les assignatures dels dos primers cursos, en especial de les de Fonaments de Química, Química Orgànica, Bioquímica i Tecnologia del DNA recombinant.

Com en altres matèries, gran part de la bibliografia està en anglès, idioma que també és utilitzat a les figures projectades a les classes de teoria i, eventualment, també a la comunicació oral.

**Objectius**

L'assignatura Química i Enginyeria de Proteïnes forma part de la matèria "Proteïnes i àcids nucleics: estructura, funció i enginyeria" de la que les dues primeres assignatures s'han impartit al segon curs. En aquesta assignatura s'estudien les característiques estructurals i funcionals dels aminoàcids, els pèptids i les proteïnes tant des d'un punt de vista bàsic com aplicat, les metodologies emprades en la seva anàlisi i modificació i les seves aplicacions biomèdiques i biotecnològiques.

Les proteïnes són les molècules efectores de molts processos bioquímics i biològics, gran part dels quals han estat vistos els dos primers cursos. Tanmateix, el coneixement de la seva estructura i funció es fonamental per a la comprensió transversal i aprofundida d'un bon nombre de matèries del Grau de Biotecnologia. Els coneixements teòrics adquirits en l'assignatura de Química i Enginyeria de Proteïnes es complementen amb una formació pràctica al laboratori en l'assignatura de Laboratori Integrat 5. Els objectius específics de l'assignatura són:

- Aprofundir en el coneixement de les característiques físico-químiques dels aminoàcids i els pèptids
- Descriure i aplicar les metodologies per a l'anàlisi de la seqüència de proteïnes i síntesi de pèptids.
- Reconèixer els elements estructurals, els diferents nivells de complexitat, els tipus de plegaments de proteïnes i la seva capacitat de formació d'estructures d'ordre superior.
- Saber recórrer a les fonts d'informació adequades per establir classificacions estructurals de proteïnes.
- Conèixer i saber explicar els mètodes méshabituals d'anàlisi de la conformació i l'estabilitat de les proteïnes, inclosos els d'anàlisi tridimensional.

- Descriure les bases moleculars del plegament de proteïnes, de la seva dinàmica molecular, del seu processament post-traduccional i del seu trànsit intra- i extracel·lular.
- Saber establir relacions evolutives entre proteïnes i conèixer els mètodes d'anàlisi i de predicció estructural.
- Conèixer i saber com aplicar les metodologies més habituals per a la producció i purificació de proteïnes recombinants.
- Saber dissenyar estratègies per a la modificació i optimització de les propietats de les proteïnes. Conèixer les bases per al disseny de proteïnes i les metodologies utilitzades en aquests processos.
- Assolir una visió global de les relacions estructura-funció a proteïnes i de les aplicacions d'aquestes biomolècules a la medicina, la indústria i la recerca.
- Integrar els coneixements teòrics adquirits per interpretar els resultats d'experiments científics i per resoldre problemes experimentals, utilitzant la terminologia científica adequada.

## Competències

- Aplicar els recursos informàtics per a la comunicació, la recerca d'informació, el tractament de dades i el càlcul.
- Descriure les bases moleculars, cel·lulars i fisiològiques de l'organització, el funcionament i integració dels organismes vius en el marc de la seva aplicació als processos biotecnològics.
- Fer una presentació oral, escrita i visual d'un treball a una audiència professional i no professional, tant en anglès com en les llengües pròpies.
- Interpretar resultats experimentals i identificar elements consistents i inconsistents.
- Llegir textos especialitzats tant a llengua anglesa com a les llengües pròpies.
- Obtenir informació de bases de dades i utilitzar el programari necessari per a establir correlacions entre estructura, funció i evolució de macromolècules.

## Resultats d'aprenentatge

1. Analitzar correctament dades sobre constants d'afinitat i llocs d'unió lligand-macromolècula.
2. Aplicar els recursos informàtics per a la comunicació, la recerca d'informació, el tractament de dades i el càlcul.
3. Classificar proteïnes en famílies estructurals partint de dades sobre seqüència i estructures secundària i terciària.
4. Deducir relacions evolutives entre macromolècules partint de l'anàlisi de dades seqüencials.
5. Descriure correctament les bases moleculars del plegament, el trànsit, la modificació i el recanvi de proteïnes.
6. Extreure estructures tridimensionals de macromolècules de bases de dades i manejar el programari necessari per a visualitzar-les i comprendre les relacions estructura-funció.
7. Extreure informació de les bases de dades genòmiques i proteòmiques.
8. Fer una presentació oral, escrita i visual d'un treball a una audiència professional i no professional, tant en anglès com en les llengües pròpies.
9. Identificar motius i dominis conservats de proteïnes.
10. Interpretar dades experimentals sobre estabilitat i plegament de proteïnes.
11. Interpretar els resultats que s'obtenen d'estudis estructurals de proteïnes i àcids nucleics.
12. Interpretar resultats experimentals i identificar elements consistents i inconsistents.
13. Llegir textos especialitzats tant a llengua anglesa com a les llengües pròpies.
14. Valorar les diferents tècniques d'anàlisi estructural i decidir sobre la seva aplicació a situacions experimentals concretes.

## Continguts

### TEORIA

#### *1. Propietats fonamentals dels aminoàcids i de les proteïnes*

Les proteïnes, els pèptids i les seves funcions als éssers viu. Estructura i propietats fisico-químiques dels aminoàcids. Reactivitat química. Aportació diferencial dels aminoàcids a les propietats de les proteïnes. Relacions evolutives.

## **II. L'enllaç peptídic i la seqüència polipeptídica**

Estereoquímica de l'enllaç peptídic. Tipus de pèptids naturals. Reactivitat química a pèptids. La seqüència polipeptídica. Estratègies per a la determinació de la seqüència de proteïnes. Síntesi química de pèptids; biblioteques combinatorials.

## **III. Determinants conformacionals. Estructures secundàries**

Jerarquia estructural. Tipus de forces estabilitzadores de la conformació. Cooperativitat de les interaccions febles. Condicionants del plegament de proteïnes. Tipus principals d'estructures secundàries.

## **IV. Classificació estructural de les proteïnes**

Estructures supersecundàries i motius. Dominis estructurals. Estructura terciària. Classificació de dominis. Conformació i funció a proteïnes fibroses. IDPs- Proteïnes intrínsecament desordenades.

## **V. Correlació estructura-funció. Exemples**

Funcions generals de les proteïnes. Proteïnes enzimàtiques: exemples. Proteïnes que s'uneixen a àcids nucleics: exemples. Motors moleculars: exemples. Proteïnes de membrana.

## **VI. Estructura quaternària de proteïnes**

Avantatges de l'adopció d'estructures quaternàries. Protòmers i subunitats. Principis generals de la formació d'estructures quaternàries; interfícies, geometries, simetries. Exemples de proteïnes oligomèriques: relacions estructura-funció i regulació de l'activitat

## **VII. Determinació de l'estructura tridimensional de les proteïnes**

Metodologies generals de caracterització estructural de proteïnes. Anàlisi en dissolució: IR, DC, UV-Vis, fluorescència. Anàlisi en cristalls: cristal·lografia - raigs X i criomicroscòpia electrònica. Espectroscòpia de RMN: estructura 3D en dissolució.

## **VIII. Plegament i dinàmica conformacional**

Plegament i desplegament de proteïnes: estat natiu i estat desplegat. Mètodes d'anàlisi del plegament. Característiques termodinàmiques i mecanístiques del procés de plegament; models que el descriuen. Plegament i agregació; les malalties conformacionals. Plegament de proteïnes *in vivo*: les chaperones moleculars. Dinàmica molecular de proteïnes.

## **IX. Processos i modificacions post-traducció**

Tipus de modificacions post-traducció i implicacions funcionals. Transport i modificacions associades. Proteòlisi limitada: pre-proteïnes, zimògens. Exemples de regulació per proteòlisi limitada: coagulació, enzims digestius. Degradació i recanvi proteic *in vivo*.

## **X. Interacció proteïna-ligand**

Forces que intervenen en l'associació proteïna-ligand. Mètodes d'estudi de la interacció. Determinació dels paràmetres cinètics i termodinàmics. Disseny de fàrmacs basat en l'estructura.

## **XI. Evolució bioquímica de proteïnes**

Relacions evolutives a proteïnes. Detecció i anàlisi d'homologies; bases de dades seqüencials; arbres filogenètics. Evolució convergent i divergent; exemples. De la seqüència a l'estructura i la funció. Predicció d'estructura 3D; modelat conformacional. Evolució de genomes i evolució proteica.

## **XII. Enginyeria de proteïnes: disseny racional**

Disseny racional: la mutagènesi dirigida com eina d'anàlisi i modificació de proteïnes. Exemples i aplicacions de l'enginyeria de proteïnes en l'anàlisi, modificació i millora de l'estructura, l'estabilitat, i la funcionalitat.

## **XIII. Enginyeria de proteïnes: evolució dirigida i síntesi de novo**

Evolució dirigida: mutagènesi a l'atzar i enginyeria de proteïnes per mètodes combinatoris. Mètodes de generació i selecció de variants. Exemples de proteïnes redissenyades. Disseny de proteïnes *de novo* - algorismes computacionals.

## **Fora de programa. XIV. Enginyeria de proteïnes: producció heteròloga**

Objectius de l'enginyeria de proteïnes i cicle productiu. Estratègies generals per a l'expressió heteròloga de proteïnes recombinants. Expressió heteròloga en diferents organismes; elecció del sistema d'expressió. Metodologies per a la purificació i l'anàlisi de proteïnes recombinants. (Aquest tema no forma part del programa perquè els seus continguts, àmpliament transversals, s'han vist a l'assignatura *Tecnologia del DNA recombinant*)

## **PROBLEMES**

El contingut d'aquest apartat es lliurarà en forma de dossier el començament del semestre a través del Campus Virtual i consisteix en una quantitat determinada d'enunciats de problemes relacionats amb els temes desenvolupats a Teoria. El dossier podrà ser actualitzat periòdicament. Les pròpies característiques de les diverses parts del temari de Teoria fan que els enunciats dels problemes es concentrin en alguns aspectes determinats. Per aquesta raó, el pes dels exercicis de problemes pot variar entre les diverses proves parcials

## **Metodologia**

Les activitats formatives de l'assignatura es divideixen en classes de teoria, classes de resolució de problemes o casos pràctics, lliurament de treballs mitjançant el Campus Virtual i seminaris/tutories. Aquestes darreres sessions de tutoria/seminaris complementen les oficialment programades i es faran durant el darrer terç del curs per discutir alguns seminaris seleccionats.

### **Classes de teoria**

El professorat explicarà el contingut del temari amb el suport de material audiovisual que estarà a disposició dels estudiants al Campus Virtual de l'assignatura amb antelació a l'inici de cada tema. Aquestes sessions expositives, de les que n'hi ha previstes 38, constituïran la part més important de la docència presencial. És recomanable que l'alumnat disposi del material publicat al CV en forma impresa per tal de poder seguir les classes amb més comoditat i que consulti de forma regular els llibres recomanats a l'apartat de Bibliografia d'aquesta guia docent.

Les classes de teoria prendran majoritàriament el format de classes expositives. Tanmateix, amb l'objecte de dinamitzar la docència es podrà utilitzar metodologies alternatives com classes inverses, propostes de qüestionaris sobre parts del temari preparades mitjançant auto-estudi o mini-tests en línia presencials durant algunes de les sessions de teoria.

### **Resolució de problemes o casos pràctics**

El grup-classe es dividirà en dos subgrups (A i B), les llistes dels quals es faran públiques a començaments de curs. Està previst que es facin 7 sessions dedicades a la resolució de casos pràctics i problemes experimentals relacionats amb els continguts del programa de teoria.

Es treballarà els problemes en grups de 3-4 persones fora de l'horari de classe. Les sessions presencials seran generalment no expositives, de manera que la resolució de problemes o casos pràctics es farà

conjuntament entre alumnat i professorat de problemes. Periòdicament, s'informarà de la futura recollida d'algun problema que s'haurà de dur resolt i lliurar-lo a l'inici de la sessió posterior. També de manera periòdica caldrà resoldre i lliurar problemes presencialment a sessions escollides a l'atzar.

### **Lliurament de treballs**

A través del Campus Virtual es proposarà exercicis o casos pràctics que s'hauran de treballar i resoldre abans d'una data concreta per part dels mateixos grups formats per a classes de problemes. Es preveu un total de dos o tres lliuraments al llarg del semestre que s'hauran d'enviar, en format PDF, mitjançant l'eina de lliurament d'arxius del Campus Virtual dins del termini establert. Aquesta activitat docent està dissenyada per complementar la docència tant de teoria com de problemes/casos pràctics.

### **Seminaris/tutories**

Essent els continguts de l'assignatura força extensos, resulta aconsellable proposar que part de la matèria sigui preparada de manera autònoma per part dels estudiants. A mitjans de semestre s'informarà a través del CV de la llista de punts del temari o relacionats que podran de ser preparats en grups de 3-4 persones (que, en aquest cas, poden ser diferents dels formats per a resoldre problemes i preparar lliuraments). Donat que la llista no contindrà suficients temes per a que cada grup n'elabori un de manera exclusiva, és possible que un mateix tema sigui tractat per més d'un grup. Tanmateix, les iniciatives per preparar seminaris de temàtica no prevista però clarament relacionada amb l'assignatura seran molt benvingudes. L'activitat de seminaris no és estrictament obligatòria, però sí molt recomanable.

Per a la preparació del seminaris es podrà programar tutories amb les persones interessades a fer-les. Els seminaris elaborats seran lliurats a través del Campus Virtual i en format PDF dins dels límits de les dates fixades i anunciades amb antelació.

Com es deia a l'inici d'aquest apartat sobre metodologia docent, es programarà tres sessions de seminaris fora de l'horari oficial on es presentaran públicament alguns seminaris seleccionats (2-3 seminaris per sessió). La tria d'aquests seminaris no obehirà necessàriament a criteris de qualitat sinó a criteris d'oportunitat per complementar la docència feta a les classes presencials.

### **Calendari d'activitats**

A la programació elaborada per la coordinació de la titulació hi figura hores de docència els dilluns, dimecres, dijous i els divendres, estant els problemes/casos pràctics generalment programats els dimecres i els dijous. Donat que, com s'ha especificat abans, hi ha previstes 38 sessions de teoria i 7 sessions de problemes/casos pràctics, en el Campus Virtual anirà apareixent actualitzada la informació sobre quines sessions específiques es dediquen a teoria i a problemes, que poden sofrir lleugeres modificacions segons la marxa del curs i altres circumstàncies. El CV de l'assignatura també informarà sobre les dates dels lliuraments i de les sessions de seminaris.

El calendari de les proves parcials es podrà consultar al Campus Virtual de l'assignatura o a la pàgina web de la Facultat.

### **Material disponible al Campus Virtual de l'assignatura**

Guia docent

Presentacions utilitzades a classes de teoria

Dossier de problemes

Calendari esquemàtic de les activitats docents

I tot aquell material que es vagi generant al llarg del semestre

### **Activitats formatives**

Títol	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
<b>Tipus: Dirigides</b>			
Classes de teoria	38	1,52	1, 3, 5, 9, 10, 12, 13, 14
Resolució de problemes o casos pràctics	7	0,28	1, 4, 7, 10, 11, 12, 14
<b>Tipus: Supervisades</b>			
Lliurament d'exercicis	4	0,16	2, 4, 6, 7, 9, 10, 11
Preparació de seminaris	4	0,16	2, 6, 8, 11, 12, 13
Tutories/presentació de seminaris	3	0,12	2, 8, 11, 12
<b>Tipus: Autònomes</b>			
Estudi - treball autònom	65	2,6	1, 3, 4, 5, 6, 7, 9, 10, 11, 12, 13, 14
Treball en grup o individual per resolució de problemes o lliuraments. Preparació de seminaris. Cerca d'informació	20	0,8	2, 4, 6, 7, 11, 12

## Avaluació

L'avaluació de l'assignatura serà individual i continuada i estarà subdividida en els mòduls següents: proves parcials on s'integrarà la teoria i els problemes, resolució presencial de mini-proves en línia, resolució presencial de problemes, lliuraments d'exercicis mitjançant el Campus virtual i elaboració d'un seminari.

### Proves parcials integrades de teoria i problemes

Hi haurà tres proves parcials al llarg del semestre que constaran de preguntes tipus test, preguntes curtes i exercicis-problemes. Les preguntes tipus test suposaran el 50% de la nota total de cada prova i les preguntes curtes i exercicis-problemes el 50% restant. D'aquesta manera es pretén fer una avaluació integrada de tots els conceptes vistos a classes presencials. El calendari de les proves es podrà consultar al CV moodle de l'assignatura o a la pàgina web de la Facultat.

La nota mínima per a considerar superat un examen parcial és el 4,0, de manera que aquelles persones que hagin obtingut una nota igual o superior a 4,0 als dos primers parcials obtindran una nota per a l'apartat d'exàmens escrits que serà la mitjana de les notes dels tres parcials. Per calcular aquesta mitjana no es requereix una nota mínima del tercer parcial. Vegeu el darrer paràgraf de l'apartat **Avaluació global** per una explicació sobre el procés de recuperació de part de l'assignatura.

Cadascuna de les proves parcials tindrà un pes del 25% a la nota total del curs; per tant, el pes total d'aquest apartat en la nota final és d'un 75%.

### Resolució presencial de problemes

A les classes presencials de problemes es resoldran els enunciats del dossier de problemes/casos pràctics que estarà publicat al CV. Com s'ha explicat abans, els estudiants hauran de preparar els problemes previstos per cadascuna de les sessions. En alguna de les sessions es demanarà als estudiants que lliurin els exercicis proposats mentre que en altres es proposarà exercicis nous que s'hauran de resoldre a la sessió presencial.

El pes total d'aquest apartat és del 5% de l'assignatura i es calcularà com la mitjana de les notes de cada lliurament (tres com a màxim).

## **Lliuraments d'exercicis mitjançant el Campus Virtual**

Els lliuraments s'hauran de resoldre de manera grupal i es lliuraran mitjançant l'eina corresponent del CV abans d'una data concreta que serà anunciada amb suficient antelació. Cal respectar estrictament la data de lliurament ja que el CV rebutja automàticament qualsevol lliurament fora de termini. No es podrà admetre lliuraments enviats fora de termini per un altre mitjà.

El pes d'aquest apartat en la nota és del 10%, que es calcularà a partir de la mitjana de les notes obtingudes.

## **Seminaris**

L'avaluació dels seminaris preparats en grups de 3-4 persones comptarà un 5% de la nota final (excepte en el cas de les persones que optin per no presentar seminari, a les que se'ls hi aplicarà un càlcul de la nota global basat en el màxim de 10 com a suma de les altres parts de l'assignatura). A les tres sessions que es programaran fora de l'horari oficial es presentaran públicament alguns seminaris seleccionats, en especial aquells que cobreixin les parts del temari no exposades a classe. A l'examen del tercer parcial hi constarà un nombre limitat de preguntes sobre els seminaris exposats públicament. La resposta a aquestes preguntes computarà com una petita nota addicional a l'obtinguda a partir de les activitats assenyalades a la taula que es veu al final d'aquest apartat

## **Avaluació global**

Aquelles persones que no hagin superat la puntuació de 4,0 en qualsevol dels dos primers exàmens parcials hauran de recuperar el parcial o parcials pendents el dia del tercer examen, essent les darreres notes les que es tindran en compte pel càlcul de la nota final. També és possible accedir a millorar la nota dels dos primers parcials amb l'única condició de renunciar a la primera nota. Cal observar que, en suposar tan sols el 25% de la nota, l'examen del tercer parcial no és recuperable, com no ho són les activitats presencials de problemes, els mini-tests, els lliuraments i els seminaris; aquestes darreres quatre activitats suposen un altre 25% de la nota final.

Considerant que, segons la normativa d'avaluació UAB, per tal de poder participar a la recuperació els estudiants han d'haver estat prèviament avaluats en un conjunt d'activitats el pes de les quals equivalgui a un mínim de dues terceres parts de la qualificació total de l'assignatura, per accedir a la prova de recuperació programada juntament amb el tercer parcial d'aquesta assignatura caldrà haver obtingut nota d'almenys un dels dos exàmens parcials previs i haver participat a les activitats de lliurament d'arxius a través del CV i als exercicis de problemes.

Els estudiants han de participar i ser avaluats en tots els apartats de l'assignatura per poder-la superar. La nota mínima exigida per poder superar l'assignatura és un 3,5/10 a la nota mitjana dels tres exàmens parcials. L'assignatura es considerarà aprovada quan, acomplerta la condició abans citada, la suma final dels diversos apartats en què es subdivideix la nota assoleixi el 5,0.

## **Altres consideracions**

Les persones que no puguin assistir a una prova d'avaluació individual per causa justificada (com ara per malaltia, defunció d'un familiar de primer grau o accident) i aportin la documentació oficial corresponent a la Coordinació del Grau i al professorat de teoria, tindran dret a realitzar la prova en una altra data.

Quan les activitats d'avaluació continuada realitzades tinguin una ponderació inferior al 67% en la qualificació final, la qualificació serà "No Avaluable".

A partir de la segona matrícula de l'assignatura, les persones repetidores no hauran de dur a terme les activitats docents ni les avaluacions d'aquelles competències superades, consistentes, en aquest cas, en el treball en grup de casos/problemes, en el lliurament de treballs i en l'elaboració de seminaris. Es considerarà que les competències de les diverses parts són superades si s'assoleix un 50% o més de la nota corresponent.

## Activitats d'avaluació

Títol	Pes	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Lliurament d'arxius mitjançant el CV	10%	1	0,04	3, 4, 7, 8, 11, 13
Lliurament de casos/problemes resolts a classe	5%	1	0,04	1, 11, 12, 14
Proves parcials de teoria	75%	5	0,2	1, 3, 4, 5, 9, 10, 11, 12, 13, 14
Resposta a qüestionaris presencials a classes de teoria	5%	1	0,04	1, 3, 5, 9, 10, 11, 12, 14
Seminaris	5%	1	0,04	2, 6, 7, 8, 9, 10, 13

## Bibliografia

### Bàsica

(de publicació més antiga a més moderna)

- Brandèn C. & Tooze J., Introduction to Protein Structure (1999) Garland Science
- Gómez-Moreno C i Sancho J. (eds.) Estructura de Proteínas (2003) Ariel Ciencia
- Petsko, R. & Ringe, D., Protein Structure and Function (2003) Blackwell Publishing
- Whitford, D., Proteins: Structure and Function (2005) Wiley
- Kessel, A. & Ben-Tal, N., Introduction to Proteins: Structure, Function and Motion (2010) CRC Press
- Williamson, M., How Proteins Work (2012) Garland Science
- Kuriyan, J., Konforti, B. & Wemmer, D. The Molecules of Life (2013) Garland Science
- Lesk, A.M., Introduction to Protein Science 3rd ed. (2016) Oxford University Press
- Almeida, P., Proteins. Concepts in Biochemistry (2016) Garland Science
- Bahar I., Jernigan R.L. & Dill, K.A., Protein Actions (2017) Garland Science

Qualsevol d'aquests llibre conté nocions interessants per l'assignatura. Tanmateix, cap d'ells no pot actuar com llibre de text únic. Alguns estan pensats per ser més didàctics (Petsko & Ringe, Williamson, Brandèn & Tooze, Kuriyan et al) però la consulta de qualsevol d'ells pot ser profitosa

### Complementària

- Buckel, P. (ed), Recombinant Protein Drugs (2001), Birkhäuser Verlag
- Bujnicki, J.M. (ed.) Prediction of protein structure, functions and interactions (2008) Wiley
- Buxbaum, E., Fundamentals of Protein Structure and Function (2007), Springer
- Creighton T.E., Proteins. Structures and Molecular Properties. (1993) (2nd ed.) Freeman W.H. & Co.
- Fersht A. Structure and Mechanism in Protein Science (1999) W.H. Freeman & Co.
- Glick, B.R. & Pasternak, J.J. Molecular Biotechnology (1998) ASM Press
- Kamp, R.M., Calvete, J. J., Choli-Papadopoulou, T. Methods in Proteome and Protein Analysis (2004) Springer-Verlag
- Kraj, A. & Silberring, J. (eds) Introduction to Proteomics (2008) Wiley
- Kyte, J. Structurein Protein Chemistry 2nd ed. (2007) Garland Science
- Lutz, S., Bornscheuer, U.T. (eds.) Protein Engineering Handbook (2008) Wiley
- Nussinov, R. & Schreiber, G. Computational Protein-Protein Interactions (2017) CRC Press



- Oxender D.L. & Fox C.F., Protein Engineering (1987) Alan Liss Inc.
- Patthy, L. Protein Evolution (2007) (2nd ed.) Wiley
- Perutz M., Protein Structure. New Approaches to Disease and Therapy. (1992). Freeman W.H. & Co.
- Schultz, G.E. & Schirmer, R.H. Principles of Protein Structure (1979) Springer Verlag
- Park, S.J., Cochran, J.R. Protein Engineering and design (2009) CRC Press
- Sternberg M.J.E. Protein Structure Prediction. (1996) IRL- Oxford University Press
- Tompa, P. & Fersht, A. Structure and function of intrinsically disordered proteins (2009) CRC Press
- Twyman, R., Principles of Proteomics (2004) Taylor & Francis
- Veenstra, T.D. & Yates, J.R. Proteomics for Biological Discovery (2006) Wiley
- Walsh, G. Proteins: Biochemistry and Biotechnology (2001) Wiley

**Llocs de cerca bibliogràfica** (en negreta els més destacats)

[NCBI PubMed search](#)

[Biblioteques de la UAB](#)

[Medline](#)

**Servidors de diverses institucions / Bases de dades estructurals de proteïnes / Programes de visualització**

Nota: molts d'aquests enllaços són a dia d'avui relíquies ja inexistents a la xarxa degut als ràpids canvis que s'hi produeixen. Tanmateix, us poden conduir als llocs de substitució.

[3Dee database](#)

[BLAST a NCBI](#)

[CATH](#)

[Comparative Sequence Analysis](#)

[DALI](#)

[EMBL](#)

[Human Genome](#)

[European Bioinformatics Institute](#)

[EXPASY \(Swiss Inst. of Bioinformatics\)](#)

[Molecular visualization resources](#)

[Molscript](#)

[National Center for Biotechnology Information](#)

[PIR](#)

[Pfam home page](#)

[Predict protein](#)

[Protein Engineering \(2102\) Edited by Pravin Kaumaya](#)

[Protein Engineering, Design and Selection](#)

[Protein Explorer](#)

[Protein sequence Analysis](#)

[\*\*ProteinDataBank\*\*](#)

[\*\*ProteinDataBank - Europe\*\*](#)

[PyMol home page](#)

[RasMol](#)

[SCOP](#)

[Structural protein domain classification](#)

[\*\*Swiss-PDBViewer/DeepView\*\*](#)

[\*\*SWISS-PROT\*\*](#)

[WHAT IF sotware](#)

[\*\*World index of molecular visualization resources\*\*](#)

**Llocs generals i d'iniciació, cursos de proteïnes i de Bioquímica estructural**

[Molecular Models for Biochemistry](#)

[P. Reisberg's Biochemistry pages](#)

[BioMolecules in the Classroom](#)

[Curs de proteïnes amb temaris, auto-tests, etc](#)

[Principles of Protein Structure Using the Internet](#)

[Bioquímica - Devlin](#)

[Protein explorer](http://www.umass.edu/microbio/chime/explorer/index.htm)

[Medical Biochemistry](#)

[BioROM](#)