

Programació en Bioinformàtica

Codi: 42401
Crèdits: 6

Titulació	Tipus	Curs	Semestre
4313473 Bioinformàtica / Bioinformatics	OB	0	1

Professor/a de contacte

Nom: Antonio Espinosa Morales

Correu electrònic: AntonioMiguel.Espinosa@uab.cat

Equip docent

Santiago Marco Sola

Utilització d'idiomes a l'assignatura

Llengua vehicular majoritària: anglès (eng)

Prerequisits

Per al desenvolupament general del curs, es recomana tenir un nivell B2 d'anglès o similar.

Per al mòdul de programació, és molt recomanable tenir nocions bàsiques de Linux com a usuari: conèixer les eines bàsiques d'edició d'arxius de text i de gestió de carpetes i permisos

Objectius

Els objectius generals d'aquest mòdul són l'aplicació de les eines i tècniques bàsiques per al desenvolupament en aquesta àrea. Es treballen les capacitats de resoldre reptes i adaptar-se a les tecnologies i paradigmes de la bioinformàtica

Competències

- Dissenyar i aplicar la metodologia científica en la resolució de problemes.
- Identificar les necessitats bioinformàtiques dels centres de recerca i les empreses del sector de la biotecnologia i la biomedicina.
- Que els estudiants tinguin les habilitats d'aprenentatge que els permetin continuar estudiant, en gran manera, amb treball autònom a autodirigit.
- Tenir coneixements que aportin la base o l'oportunitat de ser originals en el desenvolupament o l'aplicació d'idees, sovint en un context de recerca.
- Treballar individualment i en equip en un context internacional i multidisciplinari.
- Utilitzar sistemes operatius, programes i eines d'ús comú en bioinformàtica, i fer servir plataformes de còmput d'altres prestacions, llenguatges de programació i anàlisis bioinformàtiques.

Resultats d'aprenentatge

1. Dissenyar i aplicar la metodologia científica en la resolució de problemes.
2. Dissenyar, analitzar i avaluar les prestacions d'infraestructures paral·leles i grans volums de dades.

3. Gestionar plataformes paral·leles i bases de dades bioinformàtiques d'acord amb les necessitats existents.
4. Identificar els avantatges i les limitacions de la bioinformàtica i la importància de l'aplicació de noves tecnologies computacionals en investigacions òmiques.
5. Implementar algorismes i tècniques de càlcul estadístic, per a la gestió de grans volums de dades.
6. Que els estudiants tinguin les habilitats d'aprenentatge que els permetin continuar estudiant, en gran manera, amb treball autònom a autodirigit.
7. Tenir coneixements que aportin la base o l'oportunitat de ser originals en el desenvolupament o l'aplicació d'idees, sovint en un context de recerca.
8. Treballar individualment i en equip en un context internacional i multidisciplinari.

Continguts

Introducció al Mòdul

Computational Thinking

- Per què computadors i biologia?
- Workflows computacionals
- Programes de computador
- Arquitectura de computadors
- Conceptes de programació
- Algorismes i estructures de dades

Llenguatges de programació: R

- Intro a la programació en R
- Bioconductor

Linux

- Introducció a Linux: eines bàsiques, editors, gestió d'usuaris, gestió de programari, sistema de fitxers
- Shell scripting: eines del terminal, variables, entorns d'execució, exemples i exercicis

Llenguatges de programació i algorismes

- Introducció als llenguatges de programació en Bioinformàtica
- Tipus de dades i contextes
- Manipulació de dades i operacions
- Entrada/Sortida
- Reutilització de codi: mòduls i subrutines
- Expressions regulars
- Integració de codi de biblioteques i d'altres projectes

Metodologia

La metodologia combinarà treball a l'aula, solució de problemes supervisada a classe, treball no supervisat en el laboratori i treball a realitzar de forma individual a partir de les lectures recomanades i entregues a realitzar. S'utilitzarà una plataforma virtual per a l'entrega dels informes dels treballs

Activitats formatives

Títol	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
-------	-------	------	--------------------------

Tipus: Dirigides

Solució de problemes a l'aula	14	0,56	1, 5, 6, 7
Treball realitzat a l'aula	20	0,8	1, 2, 3, 5, 6, 7
Treball realitzat en el laboratori	12	0,48	1, 3, 4, 5, 7, 8
Tipus: Supervisades			
Treball realitzat al laboratori a partir de les lectures recomenades	15	0,6	1, 4, 6, 7, 8
Tipus: Autònomes			
Treball realitzat de forma setmanal sobre els entregables i materials proporcionats	83	3,32	1, 2, 5, 6, 8

Avaluació

La metodologia combinarà treball a classe, solució de problemes a classe, treball autònom en el laboratori i fora del laboratori. S'utilitzaran les plataformes virtuals pel seguiment del curs. Cap de les activitats d'avaluació individuals representarà més del 50% de la nota final.

Examen de recuperació

Per poder participar en el procés de recuperació, l'alumne haurà d'haver participat prèviament en com a mínim l'equivalent a dos terços de la nota final del mòdul en activitats d'avaluació. El professorat informarà dels procediments i terminis per al procés de recuperació. Cal notar que les activitats realitzades dins de classe de forma contínua no poden recuperar-se.

No avaluable

L'alumne serà qualificat com a "No avaluable" quan el pes de l'avaluació en què ha participat sigui inferior a l'equivalent al 67% de la nota final del mòdul.

Activitats d'avaluació

Títol	Pes	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Avaluació del treball realitzat per l'alumne durant el mòdul	10%	1	0,04	1, 4, 5, 6, 8
Examens individuals teòrics i pràctics	50%	2	0,08	1, 2, 3, 6, 7
Exàmen final	10%	1	0,04	1, 6, 7
Treball al laboratori, individual i en grup	30%	2	0,08	1, 2, 3, 4, 5, 6, 8

Bibliografia

- Rajkumar Buyya, "High Performance Cluster Computing: Programming and Applications", PH, 1999.
- Bell, Charles; Kindahl, Mats; Thalmann, Lars. "MySQL High Availability". O'Reilly, 2010.
- Benson, D. A., Karsch-Mizrachi, I., Lipman, D. J., Ostell, J., Rapp, B. A. & Wheeler, D. L. (2002).
- GenBank. *Nucl. Acids Res.*, 30(1):17-20. URL <http://nar.oupjournals.org/cgi/content/abstract/30/1/17>.
- Berman, H. M., Westbrook, J., Feng, Z., Gilliland, G., Bhat, T. N., Weissig, H., Shindyalov, I. N. & Bourne, P. E. (2000). The Protein Data Bank. *Nucleic Acids Res.*, 28(1):235-242.

- Bessant, C., Shadford, I., Oakley, D. "Building Bioinformatics Solutions with Perl, R and MySQL", Oxford University Press, 2009
- Boeckmann, B., Bairoch, A., Apweiler, R., Blatter, M.-C., Estreicher, A., Gasteiger, E., Martin, M. J., Michoud, K., O'Donovan, C., Phan, I., Pilbout, S. & Schneider, M. .The SWISS-PROT protein knowledgebase and its supplement TrEMBL in 2003. *Nucleic Acids Res.*, 31(1):365-370.
- Christiansen, P., Wall, L., Orwant, J., "Programming Perl". 4th Edition, O'Reilly, 2012
- Mäkinen et al., Genome-Scale Algorithm Design: Biological Sequence Analysis in the Era of High-Throughput Sequencing. Cambridge Univ. Press, 2015.
- Matloff, N., "The Art of R Programming". No Starch Press Inc., 2011
- Lutz, M., "Learning Python", O'Reilly, 5th edition, 2013
- Siever, E., Figgins, S., "Linux in a nutshell" O'Reilly 2009.
- Sobell, M., "A Practical Guide to Linux. Commands, editors and shell programming". Prentice Hall, 2009.
- Tindall, James., Begining Perl for Bioinformatics. O'Reilly 2012.

Webs de referència:

- <http://mscbioinformatics.uab.cat>
- <https://cv.uab.cat>

Recursos digitals a la biblioteca UAB:

- <http://www.uab.cat/biblioteques/trobador>
- <http://sfx.cbuc.cat/uab/azbook>
- <http://pagines.uab.cat/bctdigital/>
- [http://cataleg.uab.cat/search~S1*cat/?SEARCH=\(02.034\)57](http://cataleg.uab.cat/search~S1*cat/?SEARCH=(02.034)57)

Linux manual: http://materials.cv.uoc.edu/continguts/PID_00148368/index.html