

Titulació	Tipus	Curs
2501230 Ciències Biomèdiques	OB	3

Professor/a de contacte

Nom: Leonardo Pardo Carrasco

Correu electrònic: leonardo.pardo@uab.cat

Equip docent

Angel Gonzalez Wong

Marc Gómez Autet

Claudia Llinàs del Torrent Masachs

Idiomes dels grups

Podeu consultar aquesta informació al [final](#) del document.

Prerequisits

No hi ha prerequisits.

Objectius

Aquest curs introdueix els estudiants el camp de la Bioinformàtica, una especialitat que utilitza bases de dades informàtiques per emmagatzemar, recuperar i ajudar en la comprensió de la informació biològica. Els projectes de seqüenciació de genomes a gran escala així com el progrés en la determinació d'estructures tridimensionals de proteïnes han conduït a una explosió de seqüències genètiques i dades estructurals disponibles per a l'anàlisi automatitzada. A l'estudiant se li mostra com l'anàlisi de seqüències genòmiques i d'estructures de proteïnes poden conduir a una comprensió molt més completa dels processos biològics. Els estudiants seran introduïts als conceptes bàsics i eines de Bioinformàtica i de la Biologia Computacional. Les sessions pràctiques complementaran aquests coneixements, permetent els estudiants a familiaritzar-se amb els detalls i l'ús de les eines més utilitzades i recursos en línia de l'especialitat.

Objectius:

- Presentació general del camp de la Bioinformàtica.
- Iniciació als tipus de dades que són objecte d'anàlisi a Bioinformàtica i les seves bases de dades.
- Introduir a l'ús de les eines i algorismes comunament usats en l'especialitat.
- Desenvolupar habilitats en la recerca, obtenció i anàlisi de seqüències i estructures de proteïnes.

- Conèixer els aspectes més rellevants de la quimioinformàtica, amb especial èmfasi en el descobriment de fàrmacs.
- Conèixer els conceptes d'informàtica mèdica i la integració de bases de dades genètiques i clíniques

Competències

- Aplicar els coneixements adquirits en la planificació i la implementació de projectes de recerca, desenvolupament i innovació en un laboratori de recerca biomèdica, en un laboratori d'un departament clínic o en la indústria biomèdica.
- Demostrar que es coneixen i es comprenen els processos bàsics de la vida en diversos nivells d'organització: molecular, cel·lular, tissular, d'òrgan, individual i de la població.
- Treballar com a part d'un grup juntament amb altres professionals, comprendre'n els punts de vista i cooperar-hi de forma constructiva.

Resultats d'aprenentatge

1. Identificar i aplicar metodologies d'estudi adequades per al desenvolupament de projectes d'investigació.
2. Treballar com a part d'un grup juntament amb altres professionals, comprendre'n els punts de vista i cooperar-hi de forma constructiva.
3. Utilitzar procediments d'anàlisi de l'estructura, les propietats i la funció de molècules i orgànuls cel·lulars

Continguts

1. Introducció al curs. Bases de dades en Bioinformàtica

- NCBI - Entrez
- Bases de dades bibliogràfiques
- Seqüències de proteïnes. UniProt
- Seqüències de nucleòtids. Genbank

2. Genòmica

- Anotacions de genomes
- Recerca de gens
- Projecte Genoma
- Navegadors genòmics
- Projecte Encode
- Projecte HapMap
- Catalogue de gens humans i desordres genètics: OMIM
- Bases de dades de SNPs
- Estudis d'associació del genoma comple (GWAS)

3. Alineament de seqüències

- Mètodes de comparació de seqüències
- Matrius de substitució
- Programació Dinàmica
- Alineament local i global
- Recerca per similaritat (BLAST)
- Alineament multiple de seqüències
- Representació de LOGOS de Seqüències

- Alineaments progressius. Ús de CLUSTALW

4. Anàlisis filogenètiques

5. Bioinformàtica estructural

- Estructura secundària de proteïnes
- Estructura terciària de proteïnes. Interaccions moleculars
- Mètodes experimentals per a la determinació de la estructura terciària de proteïnes. Difracció de Rayos-X i RMN. El format PDB
- Estructura quaternària de proteïnes
- Alineament estructural de proteïnes, cavitats moleculars, potencial electrostàtic molecular
- Membrana cel·lular, proteïnes de membrana, predicció de l'estructura secundària i de segments de transmembrana
- Classificació estructural de proteïnes: homòlegs, motius, dominis i famílies proteiques
- Modelització per homologia

6. Modes de acció de fàrmacs

- Receptors acoplats a proteïnes G
- Cinases
- Factors de creixement

7. Quimioinformàtica

- Formats de representació d'entitats químiques. SMILES i coeficient de Tanimoto
- Relació Estructura-Activitat. Models de farmacòfor
- Acoblament molecular Proteïna-Lligand (Docking)
- ADME/Tox

Activitats formatives i Metodologia

Títol	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Tipus: Dirigides			
Classes Pràctiques	24	0,96	
Classes Teòriques	24	0,96	
Presentació Projecte Recerca	5,5	0,22	
Tipus: Supervisades			
Pràctiques de consolidació i tutoritzacions	10	0,4	
Tipus: Autònomes			
Estudi	71	2,84	
Projecte de recerca	10	0,4	

L'orientació de l'assignatura és eminentment pràctica amb la utilització de programari de bioinformàtica.

Classes de teoria:

Les classes teòriques s'impartiran amb la metodologia de tipus presencial -classes magistrals- encara que es possibilitarà i estimularà al màxim la interacció i participació de l'alumnat. Les classes tindran suport de mitjans audiovisuals.

El material utilitzat a classe pel professor estarà disponible al Campus Virtual de l'assignatura; es recomana als alumnes que l'imprimeixin i el portin a classe, per utilitzar-lo com a suport a l'hora de prendre apunts.

S'animarà l'alumne a aprofundir en els coneixements adquirits en classe mitjançant la utilització de la bibliografia i programari de simulació recomanats.

Classes pràctiques:

Donat el caràcter i l'orientació de l'assignatura aquestes classes jugaran un paper clau en el seu desenvolupament i en l'aprenentatge de la matèria i són un punt fonamental per al correcte compliment dels objectius de l'assignatura.

A més de l'ampli ventall de recursos web de Bioinformàtica a l'abast de tothom, que estaran instal·lats a l'aula d'informàtica.

En elles l'alumne haurà de resoldre casos pràctics, prèviament seleccionats. L'aprenentatge contempla tant la introducció i manipulació de dades, com l'ús de les principals facilitats que ofereixen els programaris seleccionats.

Les pràctiques duran a terme individualment o per parelles.

Projecte de recerca:

Es pretén que l'estudiant desenvolupi habilitats en la resolució d'una hipòtesi biològica utilitzant les eines i recursos bioinformàtics impartits.

Nota: es reservaran 15 minuts d'una classe, dins del calendari establert pel centre/titulació, per a la complementació per part de l'alumnat de les enquestes d'avaluació de l'actuació del professorat i d'avaluació de l'assignatura/mòdul.

Avaluació

Activitats d'avaluació continuada

Títol	Pes	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Assistència i presentació d'informes de pràctiques	15%	1	0,04	1, 3, 2
Exàmens teòric-pràctic	65%	4	0,16	1, 3
Presentació Projecte Recerca	20%	0,5	0,02	1, 3, 2

Les competències de l'assignatura s'avaluaran segons els següents criteris:

Part teòrica-pràctica:

- 2 exàmens parcials de coneixements teòrics-pràctics i preguntes conceptuals [proves T1 (32.5%) i T2 (32.5%)]

Part Pràctica:

- Assistència a pràctiques i presentació dels informes corresponents [AI (15%)]
- Elaboració i presentació d'un projecte [PJ (20%)]

Exàmens teòric-pràctic	T	65%
	T1	32.5%
	T2	32.5%
Assistència a pràctiques i presentació dels informes corresponents	AI	15%
Elaboració i presentació projecte	PJ	20%

- La qualificació mínima global necessària per superar l'assignatura serà de 5 punts.
- La part pràctica es indispensable per poder ser avaluat, si bé no hi hauran mínims.
- Es considerarà que un estudiant obtindrà la qualificació de "No avaluable" si: la valoració de totes les activitats d'avaluació realitzades no li permeti assolir la qualificació global de 5 en el supòsit que hagués obtingut la màxima nota en totes elles.
- Hi haurà un examen final: bé de recuperació per aquells alumnes que no superin l'assignatura, bé per els que desitgin pujar nota (amb afectació negativa). Aquest examen representarà el 65%de la nota final donatque la part pràctica contarà el 35% restant.
- Els alumnes repetidors podran escollir entre fer la pràctiques o no. En cas de no fer-les l'avaluació seria T1 40%, T2 40% i PJ 20%.

Aquesta assignatura no contempla la avaluació única

Bibliografia

Bibliografia específica

Attwood, T.K., Parry-Smith, D.J., *Introducción a la Bioinformática*, Pearson Education, 2002.

Bibliografia de consulta

Baldi, P., Brunak, S., *Bioinformatics*, MITPress, 1998.

Baxebanis, A.D., Oullette, F., *Bioinformatics*, John Wiley & Sons, 1998.

Lesk, A. *Introduction to Bioinformatics*. Oxford University Press, 2005.

Waterman, M.S., *Introduction to computational biology maps, sequences and genomes*, Chapman & Hall/CRC, 2000.

Recursos d'Internet

<http://www.nih.gov/>

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>

<http://www.pdb.org/>

<http://www.ebi.ac.uk>

<http://www.uniprot.org/>

<http://www.rcsb.org/>
<http://www.genomesonline.org/index>
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/projects/mapview/>
<http://genome.ucsc.edu/ENCODE/>
<http://www.genome.gov/Encode/>
<http://www.nature.com/encode/#/threads>
<http://hapmap.ncbi.nlm.nih.gov>
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/snp>
<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/SNP/>
<http://omim.org>
<http://www.1000genomes.org/home>
<http://www.genome.gov/>
<http://www.genome.gov/GWASudies/>
<http://www.embl.de/>
<http://genes.mit.edu/GENSCAN.html>
<http://expasy.org/prosite/>
<http://prodom.prabi.fr/>
<http://pfam.sanger.ac.uk/>
<http://www.cbs.dtu.dk/services/TMHMM/>
<http://scop.mrc-lmb.cam.ac.uk/scop/>
<http://www.cathdb.info/>
http://ekhidna.biocenter.helsinki.fi/dali_server/
<http://www.vcclab.org/lab/edragon/>
<http://matisse.ucsd.edu/itp-bioinfo/links.html>
<http://sites.univ-provence.fr/~wabim/english/logligne.html>

Programari

No

Llista d'idiomes

Nom	Grup	Idioma	Semestre	Torn
(PLAB) Pràctiques de laboratori	531	Català	segon quadrimestre	tarda
(PLAB) Pràctiques de laboratori	532	Català/Espanyol	segon quadrimestre	tarda
(PLAB) Pràctiques de laboratori	533	Català	segon quadrimestre	tarda
(SEM) Seminaris	531	Català	segon quadrimestre	matí-mixt
(SEM) Seminaris	532	Català	segon quadrimestre	matí-mixt
(TE) Teoria	53	Català	segon quadrimestre	matí-mixt

PROVISIONAL