

Titulació	Tipus	Curs
Genètica	OT	4

Professor/a de contacte

Nom: Marta Coronado Zamora

Correu electrònic: marta.coronado@uab.cat

Equip docent

Marta Coronado Zamora

Jose Francisco Sanchez Herrero

Idiomes dels grups

Podeu consultar aquesta informació al [final](#) del document.

Prerequisits

- Es recomana haver superat l'assignatura de Bioinformàtica (3r curs de Genètica), Genòmica, Proteòmica i Interactòmica (3r curs de Genètica) i el mòdul de Fonaments de programació dins de l'assignatura Tècniques instrumentals (2n curs de Genètica).
- És imprescindible el coneixement a nivell bàsic d'algun llenguatge de programació i haver treballat prèviament amb l'entorn Linux per poder seguir les sessions pràctiques i completar les activitats d'avaluació continuada.
- Es recomana un nivell B1.2 d'anglès equivalent.

Objectius

El propòsit d'aquesta assignatura és cobrir temes bàsics de la bioinformàtica a través de tallers pràctics, *workshops* i conferències impartides per experts en el camp. No és una assignatura acumulativa, sinó transversal, amb l'objectiu de proporcionar als estudiants una àmplia gamma de conceptes i enfocaments que abasta la bioinformàtica.

L'objectiu principal és proporcionar als estudiants els coneixements i habilitats necessaris per aplicar la bioinformàtica en diverses àrees de la investigació genòmica i altres disciplines òmiques. La matèria impartida i les activitats realitzades durant aquest curs ofereixen una perspectiva global del potencial de la bioinformàtica tant en l'àmbit de la recerca bàsica com aplicada.

Competències

- Actuar amb responsabilitat ètica i amb respecte pels drets i deures fonamentals, la diversitat i els valors democràtics.
- Actuar en l'àmbit de coneixement propi avaluant les desigualtats per raó de sexe/gènere.
- Actuar en l'àmbit de coneixement propi valorant l'impacte social, econòmic i mediambiental.
- "Conèixer i aplicar les eines ""òmiques"" de la genòmica, la transcriptòmica i la proteòmica."
- Descriure i identificar les característiques estructurals i funcionals dels àcids nucleics i les proteïnes incloent-hi els seus diferents nivells d'organització.
- Descriure l'organització, l'evolució, la variació interindividual i l'expressió del genoma humà.
- Desenvolupar l'aprenentatge autònom.
- Introduir canvis en els mètodes i els processos de l'àmbit de coneixement per donar respostes innovadores a les necessitats i demandes de la societat.
- Mesurar i interpretar la variació genètica dins i entre poblacions des d'una perspectiva clínica, de millora genètica d'animals i plantes, de conservació i evolutiva.
- Percebre la importància estratègica, industrial i econòmica de la genètica i de la genòmica en les ciències de la vida, la salut i la societat.
- Raonar críticament.
- Saber comunicar amb eficàcia, oralment i per escrit.
- Tenir capacitat d'anàlisi i de síntesi.
- Utilitzar i gestionar informació bibliogràfica o recursos informàtics o d'Internet en l'àmbit d'estudi, en les llengües pròpies i en anglès.
- Utilitzar i interpretar les fonts de dades de genomes i macromolècules de qualsevol espècie i comprendre els fonaments de l'anàlisi bioinformàtica per establir les relacions corresponents entre estructura, funció i evolució.

Resultats d'aprenentatge

1. Actuar amb responsabilitat ètica i amb respecte pels drets i deures fonamentals, la diversitat i els valors democràtics.
2. Actuar en l'àmbit de coneixement propi avaluant les desigualtats per raó de sexe/gènere.
3. Actuar en l'àmbit de coneixement propi valorant l'impacte social, econòmic i mediambiental.
4. Argumentar la transcendència dels avenços en la generació i interpretació de dades a escala genòmica per a la comprensió i la manipulació tecnològica dels organismes.
5. Desenvolupar l'aprenentatge autònom.
6. Explicar com s'aplica el coneixement de la variació genètica humana a la medicina personalitzada, la farmacogenòmica o la nutrigenòmica.
7. Explicar i aplicar els mètodes de l'anàlisi i l'anotació de genomes.
8. Introduir canvis en els mètodes i els processos de l'àmbit de coneixement per donar respostes innovadores a les necessitats i demandes de la societat.
9. Llistar i explicar el contingut de les bases de dades bioinformàtiques i fer recerques d'informació.
10. Raonar críticament.
11. Saber comunicar amb eficàcia, oralment i per escrit.
12. Tenir capacitat d'anàlisi i de síntesi.
13. Utilitzar i gestionar informació bibliogràfica o recursos informàtics o d'Internet en l'àmbit d'estudi, en les llengües pròpies i en anglès.
14. Utilitzar i interpretar els resultats de les aplicacions bioinformàtiques per a l'anàlisi molecular de seqüències.
15. Utilitzar les tècniques i les eines bioinformàtiques que permeten descriure i analitzar el genoma humà.
16. Utilitzar les tècniques, les eines i les metodologies que permeten descriure, analitzar i interpretar les enormes quantitats de dades produïdes per les tecnologies de gran rendiment.

Continguts

L'assignatura es compon de sessions pràctiques, conferències i *workshops* impartits per reconeguts i reconegudes especialistes en les diferents matèries i àmbits.

Sessions pràctiques (~12h)

Es duran a terme a l'aula d'informàtica. Els alumnes treballaran tant de manera individual com en grup (3-4 alumnes) promovent un aprenentatge actiu que permeti desenvolupar la capacitat d'anàlisi i síntesi, el raonament crític i la capacitat de resolució de problemes.

Estem a punt d'iniciar un viatge cap a la bioinformàtica real. L'assignatura es divideix en una sèrie de quatre activitats de formació pràctica que mostraran els fluxos de treball bàsics en bioinformàtica: des de la gestió i el processament de dades amb Linux, la visualització i les anàlisis funcionals posteriors. Les pràctiques es divideixen en dues grans parts. Part I: Conceptes bàsics sobre els fluxos de treball de bioinformàtica i Part II: Resolució de casos reals de genòmica.

Aquestes pràctiques pretenen també adquirir altres habilitats, molt valuoses en la investigació però poques vegades experimentades durant el Grau, com ara col·laborar, aprendre a transformar les dades en visualitzacions efectives per comunicar i fer una investigació reproducible.

	Títol	Descripció i resultats de l'aprenentatge
	Introduction	Presentació de l'assignatura: organització, metodologia, preparacions prèvies, creació de grups i avaluació de l'assignatura
P1. Basics on Bioinformatics workflows	Data management and processing	Learning Linux for Bioinformatics - Aprendrem a tractar dades crues a través de comandes de <i>bash</i> , un llenguatge molt potent de Linux.
	Data exploration and visualization	Data exploration and visualization - Aprendrem a representar dades biològiques en un missatge clar, una visualització, i extreure'n informació de les mateixes. Utilitzarem <i>ggplot2</i> , un paquet de R.
P2. Solving real cases in genomics	Machine learning	Application of machine learning - Realitzarem un anàlisi aplicant machine learning amb Python.
	Transcriptomic analyses	Finding differentially expressed genes in diseases - Realitzarem un anàlisi d'expressió diferencial amb R.
	Tutoria pràctica	Hi ha dues sessions de dues hores per tenir més temps per acabar els treballs pràctics.

Conferències convidades i *workshops* (17h)

Assistència presencial i obligatòria a les conferències (1-2h/conferència) d'expertes i experts convidats en l'àmbit de la bioinformàtica que seran impartides en anglès (pot ser que alguna sigui en català/castellà, amb previ avís). Abordaran diversos temes relacionats amb l'aplicació pràctica de la bioinformàtica i la genètica en

diferents àmbits com ara hospitals, empreses privades i institucions acadèmiques. També tracten temes més específics d'actualitat com la investigació del càncer. Les dates definitives de les conferències s'aniran actualitzant al calendari i seran avisades a través de les eines de comunicació de l'espai del Moodle. Les conferències són presencials.

Activitats formatives i Metodologia

Títol	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Tipus: Dirigides			
Tallers	7	0,28	5, 7, 10, 11
Conferències	10	0,4	4, 6, 7, 9
Sessions teòrica-pràctiques	12	0,48	4, 5, 6, 7, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16
Tipus: Supervisades			
Portafoli	20	0,8	4, 5, 6, 7, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16
Tipus: Autònomes			
Estudi/resolució problemes	25	1	5, 9, 10, 14, 15, 16

Activitats d'aprenentatge presencials i aprenentatge autònom

S'implementarà una experiència d'aprenentatge cooperatiu. Cada grup ha de gestionar i resoldre casos pràctics de forma autònoma.

Els membres de cada grup coneixeran a fons la informació que els correspon. S'efectuarà una exposició i/o redacció d'un portafoli a través del qual la resta de grups compregui les característiques i fonaments de cada anàlisi. Les quatre sessions de pràctiques estaran vinculades entre si, ja que els resultats o la metodologia d'una pràctica serviran per a la següent.

La participació activa, la gestió del treball, així com la discussió dels coneixements adquirits formaran una part vital en el paper exercit de cada alumne.

Conferències i tallers

S'impartiran un total de 5-6 conferències per experts i expèrtes en els seus camps d'investigació o laboral que oferiran una visió real de la bioinformàtica com una peça clau en la resolució de qüestions d'investigacions biològiques bàsiques i aplicades. Es farà èmfasi en la importància del tractament de dades en l'era actual del *big data*. Altres conferències tracten d'aspectes d'interès pràctic, com sobreviure el doctorat, com divulgar ciència amb un exemple real o com funciona el món científic. També es veuran les diferents sortides que té la bioinformàtica en l'àmbit acadèmic i privat.

Aquesta assignatura no preveu el sistema d'avaluació única el curs 2025/2026.

*La metodologia docent proposada pot experimentar alguna modificació en funció de les restriccions a la presencialitat que imposin les autoritatssanitàries.

Nota: es reservaran 15 minuts d'una classe, dins del calendari establert pel centre/titulació, perquè els alumnes completin les enquestes d'avaluació de l'actuació del professorat i d'avaluació de l'assignatura.

Avaluació

Activitats d'avaluació continuada

Títol	Pes	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Assistència i participació activa	10%	0	0	4, 5, 6, 7, 10, 11, 12, 13
Exposició seminari	20%	1	0,04	1, 2, 3, 4, 6, 7, 8, 10, 11, 14
Portafolis	70%	0	0	1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16

L'avaluació es realitzarà a través del lliurament d'un portafoli i l'exposició d'un tema de bioinformàtica a escollir per l'alumnat.

Portafolis (70%). A cada portafolis s'exposarà els fonaments bàsics de les dades analitzades, les eines utilitzades, el desenvolupament de la metodologia, així com una discussió sobre el resultat final del lliurament. Cada portafolis tindrà el mateix pes en l'avaluació final.

Exposició (20%). Cada grup realitzarà una exposició oral de 15-20 minuts.

Assistència i participació (10%).

L'assignatura se supera quan la nota mitjana de les activitats d'avaluació és igual o superior a 5. El caràcter continuat i transversal d'aquesta avaluació fa que no es pugui avaluar l'assignatura si la participació mínima de l'alumnat és inferior a un 80% de les sessions.

Aquesta assignatura no preveu el sistema d'avaluació única el curs 2025/2026.

Bibliografia

Llibres

- Pevzner, P. and R. Shamir. 2011. Bioinformatics for Biologists. Cambridge University Press
- Samuelsson, T. 2012. Genomics and Bioinformatics: An Introduction to Programming Tools for Life Scientists
- Lesk, A. 2014. Introduction to bioinformatics. Oxford University Press
- Claverie, J-M. 2007. Bioinformatics for dummies. Wiley, cop
- Hadley, W. 2009. ggplot2: elegant graphics for data analysis. Springer

Articles

- [Himelblau, E. \(2021\) A cartoon guide to bioinformatics by a novice coder. Nature](#)
- [Markowetz, F. \(2017\) All biology is computational biology. PLoS Biology 15\(3\):e2002050](#)
- [Webb, S. \(2018\) Deep learning for biology. Nature 554:555-557](#)
- [Mardis, E.R. \(2010\) The \\$1,000 genome, the \\$100,000 analysis? Genome Medicine 2:84](#)
- [Tyler-Smith C, Yang H, Landweber LF, Dunham I, Knoppers BM, Donnelly P, et al. \(2015\) Where Next for Genetics and Genomics? PLoS Biology 13\(7\):e1002216](#)
- [Tippmann, S. \(2015\) Programming tools: Adventures with R. Nature 517, 109-110](#)
- <https://www.biostarhandbook.com/>

Enllaços

- [Sous en bioinformàtica](#)
- [Bioinformatics: What? Why? Who?](#)

Programari

- Sistema operatiu preferible: Linux
- Llenguatges de programació: bash, R, Python
- Programes: RStudio i Jupyter Notebook
- Paquets de R: ggplot2, shiny, rmarkdown, knitr, BiocManager, DESeq2, clusterProfiler, dplyr, biomaRt, ggrepel, pheatmap, org.Hs.eg.db, pathview
- Paquets de python: numpy, pandas, matplotlib, requests, sklearn, tensorflow, itertools, seaborn

Tot el programari estarà instal·lat als ordinadors de la facultat. Es recomana l'utilització dels ordinadors de la facultat.

Grups i idiomes de l'assignatura

La informació proporcionada és provisional fins al 30 de novembre de 2025. A partir d'aquesta data, podreu consultar l'idioma de cada grup a través daquest [enllaç](#). Per accedir a la informació, caldrà introduir el CODI de l'assignatura

Nom	Grup	Idioma	Semestre	Torn
(PLAB) Pràctiques de laboratori	641	Anglès	primer quadrimestre	matí-mixt
(SEM) Seminaris	641	Anglès	primer quadrimestre	matí-mixt
(TE) Teoria	64	Anglès	primer quadrimestre	matí-mixt