

Titulació	Tipus	Curs
Bioquímica, Biologia Molecular i Biomedicina	OP	1

Professor/a de contacte

Nom : Alicia Roque Cordova

Correu electrònic : alicia.roque@uab.cat

Equip docent

Laia Armengot Martinez

Inmaculada Ponte Marull

Antonio Casamayor Gracia

Jaume Pinyol Ribas

Nerea Roher Armentia

Irantzu Pallares Goitiz

Jordi Moreno Romero

Asier Gonzalez Sevine

Equip docent (extern a la UAB)

David Corujo

Idiomes dels grups

Podeu consultar aquesta informació al [final](#) del document.

Prerequisits

Per llicenciats o graduats en Bioquímica, Biotecnologia, Biologia, Ciències Biomèdiques, Genètica, Microbiologia, Química, Informàtica, Física, Veterinària, Farmàcia o Medicina

En qualsevol cas, es recomana conèixer les tècniques bàsiques de DNA recombinant.

Objectius

L'objectiu principal del curs és el de proporcionar una formació avançada i rigorosa, alhora que didàctica, de la diversitat de tècniques de DNA recombinant, tant bàsiques com avançades. Així, en finalitzar el mòdul l'alumne haurà aconseguit un coneixement sòlid sobre les diferents tècniques que impliquen la manipulació de DNA recombinant utilitzades actualment en els laboratoris d'investigació, així com les seves utilitats i limitacions.

En finalitzar el mòdul, l'estudiant serà capaç de:

1. Entendre els procediments metodològics i identificar les eines instrumentals actuals basades en la tecnologia del DNA recombinant per respondre qüestions essencials en múltiples àrees de recerca, com són la l'estructura del DNA, l'estructura i funció de la cromatina, l'avaluació de l'expressió i la seva regulació, la traducció i la localització subcel·lular de les proteïnes, etc.
2. Dissenyar i realitzar experiments utilitzant les tècniques experimentals de DNA recombinant més apropiades per a cada objectiu concret.
3. Analitzar i interpretar adequadament, així com avaluar de manera crítica, les dades experimentals tant propis com publicats en la literatura científica.
4. Definir i comprendre les tècniques específiques per a determinats organismes utilitzats com a models d'experimentació als laboratoris d'investigació, així com les seves utilitats i limitacions.

Resultats d'aprenentatge

- CA05 (Defensar el desenvolupament de projectes associats amb els reptes emergents de la tecnologia del DNA recombinant en indústria i medicina.) Defensar el desenvolupament de projectes associats amb els reptes emergents de la tecnologia del DNA recombinant en indústria i medicina.
- CA06 (Actuar en un entorn científic i empresarial amb responsabilitat ètica i amb respecte pels drets i deures fonamentals, la diversitat i els valors democràtics, d'acord amb els Objectius del Desenvolupament Sostenible.) Actuar en un entorn científic i empresarial amb responsabilitat ètica i amb respecte pels drets i deures fonamentals, la diversitat i els valors democràtics, d'acord amb els Objectius del Desenvolupament Sostenible.
- KA07 (Identificar els procediments metodològics i les eines instrumentals actuals, els seus avantatges i limitacions per a la recerca en aquest camp (estructura de la cromatina, expressió gènica i la seva regulació, processament dels mRNA, etc.)) Identificar els procediments metodològics i les eines instrumentals actuals, els seus avantatges i limitacions per a la recerca en aquest camp (estructura de la cromatina, expressió gènica i la seva regulació, processament dels mRNA, etc.).
- KA08 (Enumerar les principals tècniques utilitzades, tant bàsiques com avançades, en l'àmbit de la biologia molecular.) Enumerar les principals tècniques utilitzades, tant bàsiques com avançades, en l'àmbit de la biologia molecular.
- KA09 (Identificar la influència de les activitats i comportaments humans sobre l'àmbit de la recerca biològica a nivell molecular que impliquen la manipulació de DNA recombinant.) Identificar la influència de les activitats i comportaments humans sobre l'àmbit de la recerca biològica a nivell molecular que impliquen la manipulació de DNA recombinant.
- SA07 (Interpretar adequadament i de manera crítica les dades experimentals, tant les pròpies com les publicades en la literatura, relacionades amb la recerca en l'àmbit molecular del DNA recombinant.) Interpretar adequadament i de manera crítica les dades experimentals, tant les pròpies com les publicades en la literatura, relacionades amb la recerca en l'àmbit molecular del DNA recombinant.
- SA08 (Organitzar experiments amb les tècniques experimentals de DNA recombinant més apropiades per a cada objectiu concret.) Organitzar experiments amb les tècniques experimentals de DNA recombinant més apropiades per a cada objectiu concret.
- SA09 (Fer servir les tècniques de modificació dels éssers vius, o part d'aquests, en la millora o desenvolupament de processos i productes farmacèutics i biotecnològics.) Fer servir les tècniques de modificació dels éssers vius, o part d'aquests, en la millora o desenvolupament de processos i productes farmacèutics i biotecnològics.

Continguts

El contingut d'aquest mòdul és el següent:

1) Introducció a les tècniques de Biologia Molecular bàsiques.

1.1. Principis de la clonació de gens i l'anàlisi del DNA.

- Amplificació, marcatge i detecció dels àc. nucleics.
- Tipus de vectors, estratègies de clonació molecular del DNA i genoteques de DNA.
- Mutagènesi dirigida del DNA.

1.2. Aplicacions de la clonació de gens i l'anàlisi del DNA per a l'estudi de l'expressió gènica.

- Tècniques per a l'estudi de l'expressió gènica basades en microarrays de DNA i en la seqüenciació massiva del DNA (RT-PCR, Run On, microarrays de DNA, *footprinting*, anàlisi de promotors mitjançant gens reporter, seqüenciació massiva des mRNAs, ChIP-Seq, GRO-Seq, etc.).

2) Característiques d'organismes model d'ús comú.

3) Tècniques per a l'estudi dels mecanismes epigenètics que regulen l'estructura de la cromatina i la seva implicació en la replicació, transcripció i reparació del DNA eucariota.

- Determinació de regions heterocromatina i eucromatina (microscòpia/sensibilitat a nucleases/gradients de densitat/corbes de precipitació de cromatina, etc.).

- Modificacions de les histones (codi de les histones). ChIP, ChIP-xip, ChIP-seq i altres.

- Metilació del DNA. Identificació metilació en una seqüència. Caracterització del grau de metilació en les illes CpG. Construcció del metiloma.

- Mètodes d'alta i baixa resolució per caracteritzar el posicionament dels nucleosomes i la identificació dels llocs d'hipersensibilitat a nucleases (End labelling, *Footprinting* *in vivo*, LM-PCR, etc).

- Metodologia d'estudi dels Complexos Remodeladors de la cromatina.

- Tècniques pel estudi de la organització tridimensional del genoma (Hi-C).

- Aplicacions de les tècniques epigenètiques a l'estudi de l'impremta genòmica en plantes.

4) Estratègies de modificació de genomes i silenciament gènic (RNA antisentit, tècniques de KO, ribozims, transgènics, ús de promotors regulables, etc.).

5) Expressió de proteïnes. Característiques dels diversos sistemes d'expressió de proteïnes (tipus de vectors, promotors, organismes, etc). Estudi de la localització intracel·lular de proteïnes.

6) Detecció d'interacció entre proteïnes.

7) Aplicacions de la tecnologia de DNA recombinant en indústria i medicina (diagnòstic, enginyeria d'anticossos, metabòlica, etc).

8) Presentació i defensa d'un treball bibliogràfic.

9) Resolució de casos pràctics.

10) Pràctiques de laboratori. 24 h de pràctiques, distribuïdes en 8 sessions amb durada variable (2-4h/sessió). Edició genòmica amb CRISPR-Cas9, PCR, anàlisi de dades de RNA-seq, immunoprecipitació de cromatina, qPCR, bases de dades de seqüències de DNA i eines d'anàlisi.

11) Seminaris d'experts en els temes abastats pel curs,

Activitats formatives i Metodologia

Títol	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Pràctiques de laboratori	24	0,96	CA06, SA07, SA08, SA09
Estudi autònom de l'alumne	67,5	2,7	KA07, KA08, SA07, SA08
Presentacion dels treballs	4	0,16	CA05, CA06, KA07, KA09, SA07, SA08, SA09
Preparació d'un treball bibliogràfic	47	1,88	KA07, KA09, SA07, SA08, SA09

Classes magistrals/expositives	32	1,28	KA07, KA08, KA09, SA07, SA08, SA09
Proves teòric-pràctiques al llarg del curs (resolució de casos i problemes)	24	0,96	KA07, KA08, KA09, SA07, SA08, SA09

Una part de la docència serà presencial i comprendrà classes magistrals, el treball de laboratori i l'assistència a les defenses dels treballs bibliogràfics com es detalla a continuació. S'exclueix la assistència als seminaris programats, que formen part del Mòdul 2, Seminaris avançats en Bioquímica, Biologia Molecular i Biomedicina.

Presencial/Dirigides (60 h)

- Classes magistrals i seminaris: 32 h
- Treball de laboratori 24 h
- Exposició i defensa dels treballs bibliogràfics: 4 h

Un altre part serà d'estudi autònom per part de l'alumne, i inclou l'execució de proves i exercicis plantejats al llarg del curs.

Autònomes

- Estudi autònom de l'alumne: 67.5 h
- Proves teòric-pràctiques al llarg del curs (resolució de casos i problemes): 24h

La preparació per part dels alumnes d'un treball bibliogràfic serà la principal activitat supervisada.

Supervisades (47 h)

- Preparació d'un treball bibliogràfic: 47 h

Nota: es reservaran 15 minuts d'una classe, dins del calendari establert pel centre/titulació, perquè l'alumnat completi les enquestes d'avaluació de l'actuació del professorat i d'avaluació de l'assignatura.

Avaluació

Activitats d'avaluació continuada

Títol	Pes	Hores	ECTS	Resultats d'aprenentatge
Sessions pràctiques	30%	2	0,08	CA06, SA07, SA08, SA09
Exposició i defensa oral d'un treball	40%	0,5	0,02	CA05, CA06, KA07, KA09, SA07, SA08, SA09
Resolució de problemes presentats pels professors, al llarg del curs.	30 %	24	0,96	KA07, KA08, KA09, SA07, SA08, SA09

Per aprovar aquest mòdul la nota final, calculada com la mitjana ponderada de les activitats d'avaluació, ha de ser com a mínim 5 punts.

En els casos on la mitjana ponderada obtinguda és menor que 5 hi haurà la possibilitat d'un examen de recuperació. Per participar a la recuperació, l'alumnat ha d'haver estat prèviament avaluat en un conjunt d'activitats el pes de les quals equivalgui a un mínim de dues tercers parts de la qualificació total de

l'assignatura o mòdul. Per tant, l'alumnat obtindrà la qualificació de \"No Avaluable\" quan les activitats d'avaluació realitzades tinguin una ponderació inferior al 67% en la qualificació final.

En aquesta assignatura, es permet l'ús de tecnologies d'Intel·ligència Artificial (IA) com a part integrant del desenvolupament dels treballs assignats, sempre que el resultat final reflecteixi una contribució significativa de l'estudiant en l'anàlisi i la reflexió personal. L'estudiant haurà d'identificar clarament quines parts han estat generades amb aquesta tecnologia, especificar les eines emprades i incloure una reflexió crítica sobre com aquestes han influït en el procés i el resultat final de l'activitat.

La realització de qualsevol irregularitat en un acte d'avaluació (fraud acadèmic, plagiat o ús indegut de la IA, tret que aquest ús estigui autoritzat expressament a la guia docent), que pugui conduir a una variació significativa de la qualificació, suposa que aquest acte es qualificarà amb un 0. En cas que la guia docent prevegi que per superar l'assignatura sigui requisit imprescindible haver obtingut una nota mínima en aquest acte d'avaluació o que es produeixin diverses irregularitats en els actes d'avaluació d'una mateixa assignatura, la qualificació final d'aquesta assignatura és 0. Al marge d'això, es podrà instruir un procés disciplinari a l'estudiant que incorri en alguna d'aquestes irregularitats.

Bibliografia

* Molecular Cloning: A Laboratory Manual.

John J. Sambrook, David David William Russell.

Cold Spring Harbor Laboratory Press; 4th edition. 2012.

* Current Protocols in Molecular Biology

Ausubel et al.

J. Willey, 2012. <https://doi.org/10.1002/0471142727.mbprefs98>

* Gene Cloning and DNA Analysis: An Introduction (6th edition).

T.A. Brown.

Wiley-Blackwell; 6th edition, 2013.

* Lewin's GENES XII.

Jones & Bartlett Learning. 2017.

* Molecular Biotechnology: Principles and Applications of Recombinant DNA.

Bernard R. Glick, Jack J. Pasternak, Cheryl L. Patten.

ASM Press; 5th edition. 2017.

* Next-Generation DNA Sequencing Informatics.

Stuart M. Brown

Cold Spring Harbor Laboratory Press, 2013.

* Diverses revisions en revistes com: Current Opinion in Structural Biology, Trends in Biochemical Sciences, Trends in Biotechnology, Nature Biotechnology, Nature Methods, etc.

Programari

A continuació, es llisten les bases de dades i eines d'anàlisi utilitzades en aquest mòdul:

Bases de dades:

- NCBI Gene (<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/gene/>)
- SGD (<https://www.yeastgenome.org/>)
- Expasy (<https://www.expasy.org/>)

Eines d'anàlisi:

- BLAST (<https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/>)
- Snapgene (<https://www.snapgene.com/>),
- GraphPad
- Bowtie2 v2.4.4 (<http://bowtie-bio.sourceforge.net/bowtie2/index.shtml>)
 - bowtie2-align-l.exe
 - bowtie2-align-s.exe
 - bowtie2-build-l.exe
 - bowtie2-build-s.exe
 - bowtie2-inspect-l.exe
 - bowtie2-inspect-s.exe
 - Running scripts in Python and Perl
- BWA-mem V.0.7.17 (<https://sourceforge.net/projects/bio-bwa/files/>)
- Cutadapt V3.4, running in Python 3.0. (<https://cutadapt.readthedocs.io/en/stable/>)
- featureCounts v2.0.2 (<https://sourceforge.net/projects/subread/files/subread-2.0.2/>)
- Glimmer3 V3.02 (<http://ccb.jhu.edu/software/glimmer/index.shtml>)
- Java
 - Varna393.jar (<http://varna.lri.fr/index.php?lang=en&page=downloads&css=varna>)
 - gview.jar V1.7 (<https://github.com/phac-nml/gview-wiki/wiki/Downloads>)
 - VarScan.v2.3.4.jar (<https://sourceforge.net/projects/varscan/files/>)
- mEMBOSS suite V6.5 (<ftp://emboss.open-bio.org/pub/EMBOSS/>)
 - vectorstrip
 - Getorf
- NCBI blast suite V2.11 (<https://ftp.ncbi.nlm.nih.gov/blast/executables/blast+/LATEST/>)
 - blast_formatter.exe
 - blastn.exe
 - blastp.exe
 - blastx.exe
 - makeblastdb.exe
- Primer3 V2.4.0 (<https://sourceforge.net/projects/primer3/files/primer3/2.4.0/>)
- R-4.0.0

- ContigStats.R (<https://gist.github.com/jlhg/4642041>)
- FastqQuality.R
(<http://www.sthda.com/english/wiki/fastqcr-an-r-package-facilitating-quality-controls-of-sequencing-data-fo>)
- scrDESeq2.R (<https://bioconductor.org/packages/release/bioc/html/DESeq2.html>)
- tradis_essentiality.R (
https://github.com/sanger-pathogens/Bio-Tradis/blob/master/bin/tradis_essentiality.R)

- Samtools V1.12 (<http://www.htslib.org/download/>)

- SPAdes 3.15.2 (<https://cab.spbu.ru/software/spades/>)

- trf409.exe (<https://tandem.bu.edu/trf/trf.download.html>)

- Velvet V1.2.10 (<https://www.ebi.ac.uk/~zerbino/velvet/>)

- velvetg.exe
- velveth.exe

Grups i idiomes de l'assignatura

La informació proporcionada és provisional fins al 30 de novembre.
A partir d'aquesta data, podreu consultar l'idioma de cada grup a través d'aquest [enllaç](#). Per accedir a la informació, caldrà introduir el CODI de l'assignatura

Tipus de docència	Grup	Idioma	Semestre	Torn
(TEm) Teoria (màster)	1	Català/Castellà	segon quadrimestre	tarda
(PLABm) Pràctiques de laboratori (màster)	1	Català/Castellà	segon quadrimestre	tarda
(SEMm) Seminaris (màster)	1	Català/Castellà	segon quadrimestre	tarda