

BIOINFORMÀTICA

COMPARACIÓ DE GENOMES

D'EUCARIOTA

Informe Seguiment I

Héctor González Gómez

1r Tutor: Mario Huerta

2n Tutor: Jordi González

Metodologia, passos a seguir i planificació

La metodologia que s'utilitzarà en aquest projecte serà una metodologia àgil, que es basa en un desenvolupament iteratiu i incremental, ja que al treballar amb Big Data es requereix d'una metodologia amb la qual es pugui modificar els diferents objectius amb el temps.

La planificació inicial es basarà en els objectius esmentats anteriorment. No obstant això, poden haver modificacions degut als possibles entrebancs que puguin sorgir en el procés.

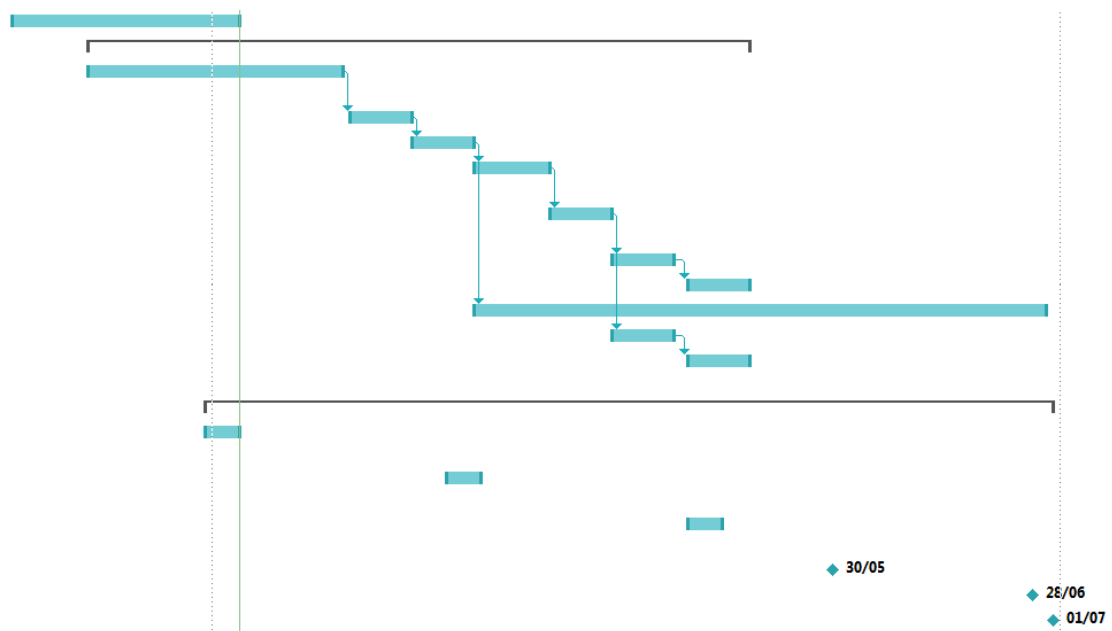


Diagrama de Gantt

★	Estudi treball previ	25 días	lun 01/02/16	vie 04/03/16	
📁	⚡ Comparació de cromosomes	68 días	vie 12/02/16	mar 17/05/16	
★	Correcció temps màxims d'execució	27 días	vie 12/02/16	sáb 19/03/16	
★	Tractament RAM	7 días	lun 21/03/16	mar 29/03/16	3
★	Paral·lelisme	7 días	mié 30/03/16	jue 07/04/16	4
★	Post-Tractament Seqüencial de Comparacions penjades	7 días	vie 08/04/16	lun 18/04/16	5
★	Correcció sortides i entrades de dades	7 días	mar 19/04/16	mié 27/04/16	6
★	Test i correcció de fitxers E/S	7 días	jue 28/04/16	vie 06/05/16	7
★	Preparació de les dades d'entrada	7 días	lun 09/05/16	mar 17/05/16	8
★	Execució Sistema	59 días	vie 08/04/16	mié 29/06/16	5
★	Adequació Sistema a Kron	7 días	jue 28/04/16	vie 06/05/16	7
★	Configuració execucions del Sistema	7 días	lun 09/05/16	mar 17/05/16	11
📁	⚡ Documentació	89 días	lun 29/02/16	vie 01/07/16	
★	Informe inicial	5 días	lun 29/02/16	vie 04/03/16	
★	Informe de Progrés I	5 días	lun 04/04/16	vie 08/04/16	
★	Informe de Progrés II	5 días	lun 09/05/16	vie 13/05/16	
★	Tancament del Projecte	0 días	lun 30/05/16	lun 30/05/16	
★	Documentació Final	0 días	mar 28/06/16	mar 28/06/16	
★	Presentació	0 días	vie 01/07/16	vie 01/07/16	

Passos a Seguir

Bibliografia i Referències.

[1] **Web oficial NCBI**, (National center for biotechnology information) Repositori mundial de biotecnologia.

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>

[2] **FTP NCBI**, Conté els genomes actualitzats i tota la informació que necessitem per realitzar tot el procés de comparació.

<ftp://ftp.ncbi.nih.gov/>

[3] **Entrez Programming Utilities Help**, ajuda on-line per l'ús de les consultes amb e-utils

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK25501/>

[4] <http://platypus.uab.es/>, Web server for the all-known-genomes comparison by web. Server supported by the Institute of Biotechnology and Biomedicine of the Autonomous University of Barcelona (IBB-UAB).

[5] **Efficient Space and Time multicomparison of Genomes**, Mario Huerta, Xavier Messeguer, Technical report LSI-02-64-R. Llenguatges i Sistemes Informàtics, Universitat Politècnica de Catalunya (2002).

- [6] [Identification of patterns in biological sequences at the ALGGEN server: PROMO and MALGEN](#) , Domènec Farré, Mario Huerta, Romà Roset, José E. Adsuara, Llorenç Roselló, M. Mar Albà, and Xavier Messeguer, Nucleic Acids Research. 2003 31: 3651-3653 (2003).
- [7] M-GCAT: Interactively and efficiently constructing large-scale multiple genome comparison frameworks in closely related species. T. Treangen and X. Messeguer. BMC Bioinformatics 2006, 7:433.(2006)
- [8] [Suffix Tree Construction with slide nodes](#), Mario Huerta. technical report LSI-02-63-R Dep. Llenguatge i Sistemes Informàtics, Universitat Politècnica de Catalunya (2002).
- [9] <http://ibb.uab.cat/ibb/>, Web de l'Institut de Biotecnologia i de Biomedicina.
- [10] http://cic.puj.edu.co/wiki/doku.php?id=materias:laboratorio_de_lenguajes_ii:lableng2:reg_exp, Web amb informació de expressions regulars.
- [11] <http://geekalt42.net/el-porque-no-usar-un-task-killer-en-android-optimizando-la-ram-3813>, Web amb informació referent a la optimització de memòria RAM.
- [12] <http://www.chuidiang.com/clinix/ipcs/semaforo.php>, informació de programació amb semàfors.
- [13] <http://linux.die.net/man/2/wait>, <http://osr507doc.sco.com/en/man/html.C/wait.C.html>, manpage i informació de les funcions fork i wait.
- [14] <http://www.eclipse.org/> , pàgina oficial del projecte eclipse.
- [15] <http://www.enterprisedt.com/products/edtftpj/> , llibreries per la connexió FTP via java.
- [16] <http://www.cplusplus.com/>, Recurs imprescindible per la programació en C++.
- [17] <http://download.oracle.com/javase/6/docs/api/>, Recurs imprescindible per la programació en Java.