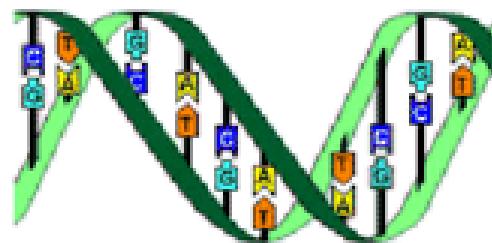


03/2006

ATLAS: Herramienta informática para estudios de trazabilidad



Hoy en día, el progreso científico depende en gran medida de las herramientas informáticas. En estudios genéticos, por ejemplo, se genera una cascada de datos sólo comprensibles después de vertiginosos cálculos que realiza un ordenador. Esto lo tienen muy claro en la Facultad de Veterinaria, por ello han diseñado un programa informático que facilita su tarea, ATLAS, en particular en los estudios de trazabilidad de la cadena alimenticia.

El programa que hemos diseñado, Atlas, es una ayuda a los investigadores que generan datos de polimorfismos de ADN y que puede ser útil para estudios de trazabilidad o de paternidad. En este sentido, la Unión Europea exige cada vez más que se conozca el origen de un determinado producto (por ejemplo, un filete de carne que llega al consumidor).

Es lo que se denomina trazabilidad, y un equipo de la UAB está trabajando en la utilización

de marcadores moleculares para asegurar que dos muestras (una en origen y otra la comprada por el consumidor) corresponden al mismo animal

Nuestro programa puede ayudar a identificar cuáles son las muestras compatibles entre sí y que, por tanto, tendrían el mismo origen. Otra aplicación de Atlas es la visualización de datos genotipos en pedigrí, determinar si dos individuos son los padres potenciales de otro (pruebas de paternidad) o identificar los errores de genotipado.

Miguel Pérez-Enciso
Investigador ICREA
Universitat Autònoma de Barcelona
miguel.perez@uab.es

Referencias

Artículo: Pérez-Enciso, E; García-Bernal, PG; Pérez-Enciso, M. "Atlas: A Java-based tool for managing genotypes", JOURNAL OF HEREDITY, 96 (5): 623-625 SEP 2005.

[View low-bandwidth version](#)