

Estudi del microorganisme *Staphylococcus aureus* present en fauna salvatge

11/2014 - **Ciència Animal**. Un treball ha analitzat més de 2.000 mostres de diferents espècies de fauna salvatge per estudiar el microorganisme *Staphylococcus aureus*, que causa malalties com pneumònies i infeccions del torrent sanguini i que ha desenvolupat resistència enfront dels antibiòtics. Els resultats de l'estudi indiquen que els tipus més freqüents d'aquest microorganisme són específics per a les diferents espècies animals que els allotgen i són resistents a un determinat antibiòtic, si bé la majoria van ser sensibles a tots els antibiòtics provats.



Staphylococcus aureus és un microorganisme que es troba habitualment en animals i persones a les fosses nasals, la gola i la pell, però també és l'agent causant de malalties, com ara pneumònies i infeccions del torrent sanguini. La importància d'aquest tipus de microorganismes rau en l'existència de resistències enfront dels antibiòtics i les limitades opcions de tractament en salut pública. Aquestes resistències s'han trobat en animals domèstics però també són presents a la fauna salvatge. En el present article s'han analitzat mostres de diferents espècies de fauna salvatge per avaluar la diversitat genètica i els genotips predominants de *Staphylococcus aureus* sensible a la meticil·lina (MSSA). Es van prendre 2.230 mostres de pell i/o de fosses nasals de 40 vultors lleonats, 157 cabres salvatges, 54 cérvols i 713 senglars capturats amb gàbies trampa o procedents de l'activitat cinegètica de 10 províncies diferents d'Espanya entre març de 2009 i novembre de 2011. La proporció de portadors de MSSA van ser 5,00% en voltor, 22,93% en cabra salvatge, 19,78% en cérvol i 17,67% en senglar i la major part dels aïllaments van ser realitzats a partir de mostres nasals (78,51%) respecte a la pell (21,49%). Pel que fa a la identificació molecular, es van identificar 63 tipus diferents mitjançant la tipificació spa a partir del gen de la proteïna A de *Staphylococcus aureus*, incloent 25 nous tipus. Els més comuns van ser T528 (43,59%) en cabra salvatge, T548 i T11212 (15,79% i 14,04%) en cérvols i T3750 (36,11%) en senglars. Mitjançant la tipificació de la seqüenciació de diversos al·lels (*Multilocus sequence typing* - MLST), es van detectar 27 tipus, dels quals 12 no havien estat descrits prèviament. Les més freqüents van ser ST581 en cabra salvatge (48,72%), ST425 en cérvol (29,82%) i ST2328 en senglar (42,36%). Els aïllats de voltor comú van pertànyer a ST133. S'ha observat especificitat d'hoste per als tipus més freqüents i van mostrar resistència contra benzilpenicil·lina, encara que la majoria dels *S. aureus* aïllats van ser sensibles a tots els antibiòtics provats. Encara que l'origen d'aquesta resistència és desconeguda, estudis anteriors han demostrat que està àmpliament disseminada en els animals de producció i en les persones.

Santiago Lavín

Departament de Medicina i Cirurgia Animals

Porrero, M. Concepción; Mentaberre, Gregorio; Sánchez, Sergio; Fernández-Llario, Pedro; Casas-Díaz, Encarna; Mateos, Ana; Vidal, Dolors; Lavín, Santiago; Fernández-Garayzábal, José-Francisco; Domínguez, Lucas. [Carriage of *Staphylococcus aureus* by Free-Living Wild Animals in Spain](#). *Applied and Environmental Microbiology* 80(16):4865-4870. 2014. doi: 10.1128/AEM.00647-14.